

iPS in Science

Breakthrough of Stem Cell Research

人工多能性幹細胞

サイエンス誌に載った

2007年11月20日、iPS細胞に関する画期的な科学論文2編が同時に発表されました。Science Express誌に発表された米国ウィスコンシン大学マディソン校のJames Thomson先生らの報告と、同日Cell誌に発表された京都大学再生医学研究所の山中伸弥先生らの報告です。山中先生らは更に、2008年2月14日発行のScience ExpressにiPS細胞に関する新たな知見を発表されました。ここに、Scienceに掲載された2つの論文を邦訳してお届けいたします。この機会に、多くの研究者の方々に、生命科学と医療の現場に革新をもたらす知見として広く世界に認められた業績に触れていただきたいと考えます。

監修:京都大学再生医科学研究所 再生誘導研究分野 青井 貴之先生



成体マウス肝および胃細胞からの多能性幹細胞樹立

Generation of Pluripotent Stem Cells from Adult Mouse Liver and Stomach Cells

Takashi Aoi,^{1,2} Kojiro Yae,¹ Masato Nakagawa,¹ Tomoko Ichisaka,^{1,3} Keisuke Okita,¹ Kazutoshi Takahashi,¹ Tsutomu Chiba,² Shinya Yamanaka^{1,3,4,5*}

¹ Department of Stem Cell Biology, Institute for Frontier Medical Sciences, Kyoto University, Kyoto 606-8507, Japan

² Department of Gastroenterology and Hepatology, Graduate School of Medicine, Kyoto University, Kyoto 606-8507, Japan

³ CREST, Japan Science and Technology Agency, Kawaguchi 332-0012, Japan.

⁴ Gladstone Institute of Cardiovascular Disease, San Francisco, CA 94158

⁵ Center for iPS Cell Research and Application, Institute for Integrated Cell-Material Sciences, Kyoto University, Kyoto 606-8507, Japan

* To whom correspondence should be addressed. E-mail: yamanaka@frontier.kyoto-u.ac.jp

4 種類の転写因子、Oct3/4、Sox2、Klf4、および c-Myc をレトロウイルスによって導入することで、成体マウスの線維芽細胞は初期化され、胚性幹細胞（ES 細胞）と同様の未分化な状態を獲得する（1,2）。このような細胞は人工多能性幹細胞（iPS 細胞）と命名された。その後、ヒトの iPS 細胞も、2通りの異なる組み合わせの転写因子を用いて樹立された（3,4）。ヒト iPS 細胞の樹立が可能になったことにより、患者特異的な幹細胞を作出し、培養下で病態を研究する道が拓かれた（3-5）。しかし、iPS 細胞の誘導に関する機序はまだ明らかになっていない。iPS 細胞の誘導効率の低さは、その起源が線維芽細胞培養に混在している未分化な幹細胞であることによるかもしれない。さらに、特定の部位にレトロウイルスが組込まれることが、iPS 細胞の誘導に必要である可能性もある（6）。

今回われわれは、線維芽細胞ではなく、上皮細胞から iPS 細胞を樹立した。 β -geo 遺伝子（ β -ガラクトシダーゼとネオマイシン耐性遺伝子の融合遺伝子）を *Fbx15* 遺伝子座にノックインしたマウス（7）から、肝細胞および胃上皮細胞初代培養（図 1a）を単離した。*Fbx15* 遺伝子は、ES 細胞および着床前の胚に特異的に発現している遺伝子である。*Fbx15* レポーターによって選択された線維芽細胞（マウス胚性線維芽細胞 [MEF]、または尾端線維芽細胞 [TTF]）由来の iPS 細胞は、遺伝子発現、DNA メチル化パターン、およびキメラ形成において ES 細胞とは異なっている（2）。

この肝細胞および胃上皮細胞に、レトロウイルスベクターを用いて 4 種類の転写因子（Oct3/4、Sox2、Klf4、および c-Myc）を導入した。レトロウイルスによる上皮細胞への遺伝子導入効率（30 ~ 45%、図 S1a）は、MEF への導入効率（>85%、図 S1b）よりも低かった。希釈したレトロウイルスで MEF に遺伝子導入を行って、その効率が 30% 前後であった場合には、iPS 細胞は得られていない（図 S1b）。上皮細胞に遺伝子導入して 3 日後、血清と G418（ネオマイシン）を加えた ES 細胞用の培地に交換した。2 週間後、そのように低いレトロウイルスによる遺伝子導入効率にもかかわらず、肝細胞と胃上皮細胞の両方において、G418 耐性で、核が大きく細胞質に乏しい特徴を持つ ES 細胞様のコロニーが複数観察された。

4 種類の転写因子をレトロウイルスベクターで導入することにより、マウスおよびヒトの線維芽細胞から誘導多能性幹細胞（人工多能性幹細胞、iPS 細胞）がこれまでに樹立された。しかし、iPS 細胞の起源や誘導の分子機序は、まだ明らかになっていない。今回われわれは、成体マウスの肝細胞および胃上皮細胞から iPS 細胞を樹立したので報告する。樹立したこれらの iPS 紹介のクローンは、遺伝子発現が ES 紹介と同等であると考えられる。また、生殖系列キメラを形成する能力がある。遺伝学的手法を用いた細胞系列の追跡解析により、肝臓由来の iPS 紹介はアルブミン発現細胞に由来することが判明した。複数のクローン間で、共通したレトロウイルスの挿入部位は見いただされなかった。これらの知見から、iPS 紹介は分化系列が決定している体細胞に対する直接的な初期化によって誘導され、特定の部位へのレトロウイルスの挿入は必要でないことが示唆される。

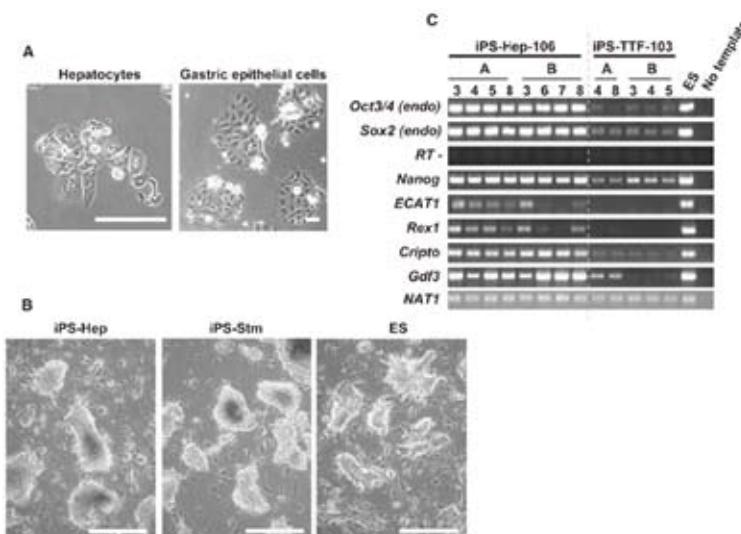


図 1. 成体マウスの肝細胞と胃上皮細胞から作製した iPS 紹介の特徴
a) ゼラチン処理を行ったプレート上での初代肝細胞と胃上皮細胞の形態。スケールバー=50 μ m。b) STO フィーダー細胞上で iPS-Hep 紹介と iPS-Stm 紹介の形態。スケールバー=500 μ m。c) RT-PCR による iPS-Hep 紹介、iPS-TTF 紹介、および ES 紹介における ES 紹介マーカー遺伝子の発現解析。レトロウイルスによる遺伝子導入には、2種類の培地を用いた。A と表示してあるクローンでは無血清培地に EGF と HGF を加えて用いた。一方、B と表示してあるクローンでは 10% の血清培地を用い、EGF と HGF を使用しなかった。*Oct3/4* および *Sox2* の発現については、内在性の転写産物のみ（endo）を増幅するプライマーセットを用いた。泳動量のコントロールとして、*NAT1* を用いた（17）。陰性対照として、*Sox2* については逆転写なし（RT-）の錆型についても PCR を行った。

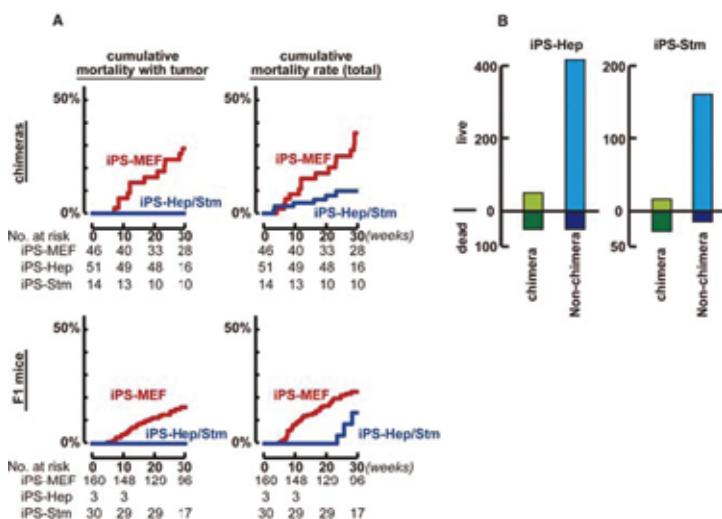


図 2. iPS-Hep/Stm 細胞の多能性

a) iPS 細胞由来マウスの腫瘍発生率と死亡率。iPS-MEF 細胞または iPS-Hep/Stm 細胞から作製されたキメラマウス（上段）および F1 マウス（下段）の、腫瘍による累積死亡率（左側）と全死亡率（右側）を示す。「死亡」は衰弱による屠殺例を含む。死亡例はすべて、死因を検討するために解剖した。各図の下に示す数字は、各時点で解析されたマウス数を示す。b) iPS-Hep 細胞および iPS-Stm 細胞に由来するキメラマウスにおける高い周産期死亡率。出生時の生存個体数と死亡個体数を示す。

G418 耐性のコロニーを増殖させたところ、約 60% の細胞がマウス ES 細胞と区別できない形態を示した（図 1b）。われわれはこれらの細胞をそれぞれ iPS-Hep (iPS-Hepatic)、および iPS-Stm (iPS-Stomach) と命名した。これらの細胞は増殖能についても ES 細胞と同様の結果を示した（図 S2a）。RT-PCR を行うと、iPS-Hep 細胞（図 1c）と iPS-Stm 細胞（図 S2b）は、ES 細胞と同程度の内在性の *Oct3/4* と *Sox2* を発現していることがわかった。また、iPS-Hep 細胞と iPS-Stm 細胞は、*Nanog*、*Rex1*、*ECAT1*、*Cripto*、および *Gdf3* など ES 細胞のマーカー遺伝子についても、ES 細胞と同程度に発現していた。一方、*Fbx15* レポーターによって選択された TTF 由来の iPS 細胞 (iPS-TTF) は、ES 細胞マーカー遺伝子の発現量が低かった（図 1c）。次いで、iPS-Hep 細胞と iPS-TTF 細胞の作製時に、2通りの培養条件を検討した。一方は上皮成長因子 (EGF) と肝細胞増殖因子 (HGF) を添加するが血清は添加しない（図 1c,A）、もう一方は 10% の血清を添加するが、EGF と HGF は添加しない（図 1c,B）とした。その結果、両方の培養条件下で、iPS-Hep 細胞は iPS-TTF 細胞よりも ES 細胞マーカー遺伝子の発現量が多かった。iPS-Hep 細胞と iPS-Stm 細胞では、*Oct3/4*、*Nanog*、および *Fbx15* 各遺伝子のプロモーター領域の大部分が、完全とはいえないものの、非メチル化状態にあった（図 S2c）。この点についても iPS-TTF 細胞とは対照的であり、iPS-TTF 細胞では部分的な脱メチル化が認められるのみであった（2）。このように、(iPS-MEF、iPS-TTF と同様に) *Fbx15* 遺伝子の発現によって選択された細胞であるにもかかわらず、iPS-Hep 細胞と iPS-Stm 細胞は iPS-TTF 細胞よりも、ES 細胞によく似ている。

そこで、iPS-Hep 細胞と iPS-Stm 細胞 (1×10^6 細胞) をヌードマウスの後側腹部皮下に移植した（表 S1）。移植から 4 週間後、全てのマウスで、神経組織、筋肉、軟骨、腸様の上皮組織など三胚葉に由来するさまざまな組織からなる腫瘍が形成された（図 S3）。この結果から、iPS-Hep 細胞と iPS-Stm 細胞は多能性を持つことが実証された。

次にこれらの細胞を、マイクロインジェクションによって胚盤胞にも移植した（表 S2）。*Fbx15* レポーターマウスに由来する 8 種類の iPS-Hep 細胞のクローンと、6 種類の iPS-Stm クローンをインジェクションに用いた。さらに、*Nanog* 遺伝子の発現によって選択した 5 種類の iPS-Hep 細胞のクローンについても同様にインジェクションを行った。これらのクローンの大半は、恒常的に活性化している CAG プロモーター (8) によって発現する GFP の導入遺伝子を有し

ていた。加えて、選択マーカーなしに形態のみで選択した 1 種類の iPS-Hep 細胞のクローン (9-11) も移植した。これらのなかから、iPS-Hep 細胞の 10 クローン、および iPS-Stm 細胞の 2 クローンに由来する成体キメラマウス（毛色によって示されている）が得られた（図 S4a）。*Fbx15* 遺伝子の発現で選択された iPS-Hep 細胞の 1 クローン (21 週齢のマウス由来) と iPS-Stm 細胞の 2 クローン (12 週齢のマウス由来) が、生殖細胞系列に導入されたことが、GFP が発現と導入遺伝子の存在から確認された（図 S4b）。この点に関しても同様に、*Nanog* 遺伝子の発現によって選択された線維芽細胞 (MEF もしくは TTF) 由来 iPS 細胞 (iPS-fibroblast) だけが成体や生殖細胞系列キメラになり、*Fbx15* によって選択された iPS-fibroblast ではそれらが得られなかった（2）ことと対照的であった。

次に、iPS-Hep 細胞由来、iPS-Stm 細胞由来、あるいは iPS-MEF 細胞由来のマウス間で腫瘍発生率を比較した。インジェクションした 12 系統のうち独立した 10 クローンの iPS-MEF から、46 個体の成体キメラマウスが得られた。これらのキメラマウスのうち、およそ 30% が 30 週齢までに腫瘍を発生した（図 2a）。一方、iPS-Hep 細胞と iPS-Stm 細胞の 12 クローンから得られた 65 個体の成体キメラマウスでは、この期間中に腫瘍の発生は認められなかつた。さらに、8 種類の iPS-MEF 細胞クローンに由来する F1 マウスのおよそ 20% においても、30 週齢までに腫瘍が発生したが、iPS-Hep 細胞や iPS-Stm 細胞由来の F1 マウスでは腫瘍は観察されなかつた（図 2a）。iPS-Hep 細胞や iPS-Stm 細胞由来のマウスのうちの幾匹かが、通常飼育施設への移動後に死亡したが、これらのマウスを剖検しても腫瘍は発見できなかつた（図 2a）。

しかし、iPS-Hep 紹細胞および iPS-Stm 紹細胞由來のキメラマウスは、非キメラマウスと比較して、周産期死亡率が高かつた（図 2b）。このような周産期における高死亡率は、iPS-MEF 紹細胞由來のキメラマウスでは認められなかつた。死亡したマウスの剖検を行つたが、肉眼的な外観は正常で、死因は不明であった。クローン動物によくあると考えられているが（12）、なんらかのエピジェネティックな異常が周産期死亡の原因であるのかもしれない。一方、生後 1 日を経過したマウスでは、死亡率增加は認められなかつた（図 2a）。

次に、iPS-Hep 細胞と iPS-Stm 細胞におけるレトロウイルス挿入部位 (RIS) の数を調べた。サザンプロット解析によって、各クローンに導入された 4 種類のレトロウイルスのそれぞれについて、1 本から 4 本のバンドが検出された（図 3）。この数は MEF-iPS 細胞におけるバンド数よりも少なく、MEF-iPS 細胞では各レトロウイルスあたり 1 力所から 12 力所の RIS が検出された。インバース PCR を用いて調べたところ、iPS-Hep 細胞の 2 クローンと iPS-Stm 細胞の 2 クローンでは、RIS は複数の染色体にランダムに分布していた（図 S5）。レトロウイルスが挿入された部位の遺伝子は、機能的分類においても、その分子の細胞内局在においても、特定の偏向を示さなかつた（図 S6）。RIS はおもにこれらの遺伝子の転写開始位置の近傍に存在していた（図 S7-11）。

われわれのデータは、iPS-Hep 細胞や iPS-Stm 細胞が、3 つの特性において iPS-fibroblast と異なっていることを示している。第一に、iPS-Hep 細胞と iPS-Stm 細胞は、*Fbx15* 遺伝子の発現によって選択されているにもかかわらず、成体キメラの形成に寄与している点である。第二に、検証した 30 週齢までの期間において、iPS-Hep 細胞由来と iPS-Stm 細胞由来のキメラマウスでは、腫瘍発生率の上昇が認められなかった点である。この 2 つの特徴は、最近われわれが Myc のレトロウイルスを用いずに樹立した iPS-fibroblast 細胞と似ている（11）。このことは、iPS-Hep 細胞や iPS-Stm 細胞の樹立においては、iPS-fibroblast 細胞の樹立と比較して、Myc が担う役割がより小さいことを示唆している。この可能性について検討するため、われわれは 4 種類の因子から 1 種類ずつ除外し、肝細胞からの iPS 細胞作製に及ぼす影響を調べた。その結果、Oct3/4、Sox2、または Klf4 を除外した場合には、iPS 細胞のコロニーは出現しなかった（図 S12a）。一方、Myc を除外した場合には、全 4 種類を用いて作製した場合と較べ、コロニー数は 20 ~ 40% 減少したのみであった（図 S12a,b）。この結果は、Myc を除外すると 90% 以上もコロニーが減少した（11）iPS-fibroblast 細胞とは対照的で、肝細胞由来の iPS 細胞樹立における Myc の重要性の低さを支持している。

iPS-Hep 細胞、iPS-Stm 細胞と iPS-fibroblast 細胞との第三の違いは、前 2 者の iPS 細胞の RIS が後者の iPS 細胞のそれより少ない点である。レトロウイルスによる 4 種類の転写因子の発現量は、線維芽細胞よりも肝細胞において高かった（図 S13）。この事実によって、少なくとも部分的には、iPS-Hep 細胞において RIS が少ない理由を説明できるであろう。また ES 細胞は、細胞間の緊密な接触や、細胞表面における E- カドヘリン発現など、上皮細胞としての特徴を持って

いることが示されている（13）。われわれは、肝細胞における E- カドヘリンと β - カテニンの発現が、線維芽細胞よりも高く、ES 細胞と同程度であることを確認した（図 S13）。この類似性も、iPS-Hep 細胞と iPS-Stm 細胞において RIS の数が少なくなることに寄与していると考えられる。iPS-Hep 紹細胞や iPS-Stm 紹細胞と iPS-fibroblast 紹細胞間で、根本的な相違を生じさせる詳細な分子機序を明らかにするには、さらなる研究が必要であろう。

iPS-Hep 紹細胞の起源を調べるため、遺伝学的手法による細胞系列追跡解析を行った（図 4a）。Nanog レポーターマウスでは、iPS 紹細胞の選択のために GFP 遺伝子とピューロマイシン耐性遺伝子が Nanog 遺伝子にノックインされているが、まずこのマウスとアルブミンプロモーターによって Cre リコンビナーゼを発現するトランスジェニックマウス（14）を交配させ、その後さらに恒常に活性化しているプロモータ下で loxP-CAT-loxP- β -gal (β -ガラクトシダーゼ) カセットを発現するトランスジェニックマウス（15）と交配させた。このトリプルトランスジェニックマウスでは、アルブミン遺伝子の活性化に伴って β -gal 活性が誘導され、アルブミン遺伝子の発現が停止しても β -gal 活性は持続する。このマウスから初代肝細胞を単離し、4 種類の因子を導入して iPS 紹細胞を作製した。遺伝子導入から 14 日後、ピューロマイシンによる選択を開始した。遺伝子導入後 30 日までに、100 個以上の GFP 陽性のコロニーが得られた（図 4b 左と中央）。その大半は β -gal 陽性でもあったことから（図 4b 右）、iPS-Hep 紹細胞は肝細胞か、あるいは他のアルブミン発現細胞に由来しており、アルブミンを発現しない未分化細胞に由来するものではないことがわかった。GFP 陽性で β -gal 陰性のコロニーも散見されたが、それらは肝細胞の初代培養に混在していたアルブミン陰性の細胞から生じたか、もしくは単純に Cre リコンビナーゼによる不完全な組換えを反映していると考えられる。

以上の結果を総括すると、今回の研究は、4 種類の転写因子を用いることで、アルブミンプロモーターが活性化される段階まで分化が進んだ体細胞の初期化に成功したことを示している。さらにわれわれは、iPS-Hep 紹細胞や iPS-Stm 紹細胞の樹立にあたり、ゲノムの特定の部位へのレトロウイルスの挿入は必要でないことも明らかにした。この知見は、患者への移植後に腫瘍形成の懸念があるゲノムへ挿入（16）を用いない遺伝子導入法により、iPS 紹細胞の樹立が可能であることを示唆している。

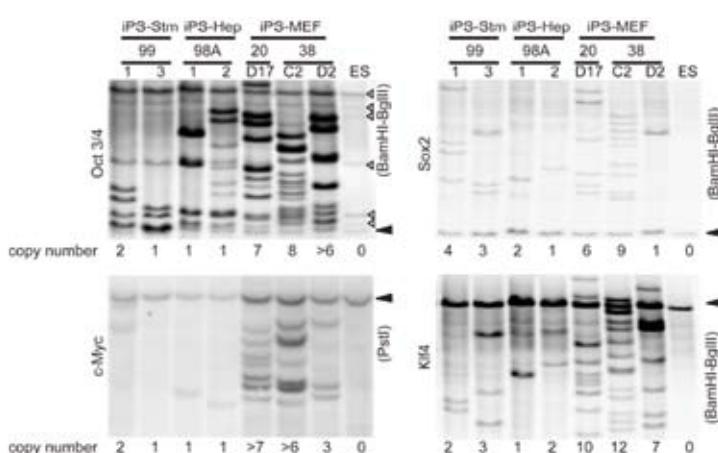


図 3. iPS-Hep 紹細胞と iPS-Stm 紹細胞におけるレトロウイルス挿入部位
iPS-Hep 紹細胞と iPS-Stm 紹細胞のクローンにおける、レトロウイルスを用いて挿入された Oct3/4、Sox、Klf4、および c-Myc 遺伝子のサザンプロット解析。
iPS-Stm 紹細胞、iPS-Hep 紹細胞、iPS-MEF 紹細胞、および野生型 ES 紹細胞から単離したゲノム DNA を解析した。検出されたバンド数を下段に示す。矢印は内在性の遺伝子座に相当するバンドを示す。白の矢印は Oct3/4 の偽遺伝子に相当するバンドを示す。

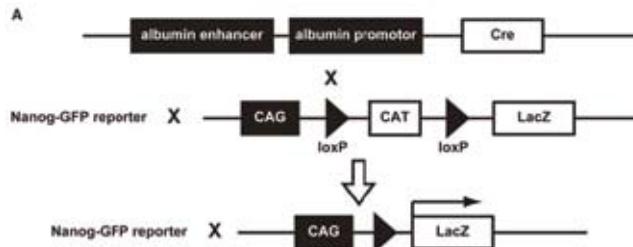


図4. アルブミン発現細胞に由来するiPS-Hep細胞
a) 細胞運命の追跡方法。b) トリプルトランスジェニックマウス肝細胞に由来するiPS細胞コロニーの位相差顕微鏡、蛍光顕微鏡、およびX-gal染色の各写真。赤の矢印は β -gal陰性コロニーを示す。スケールバー=2mm。

References and Notes

- K. Okita, T. Ichisaka, S. Yamanaka, *Nature* **448**, 313 (2007).
- K. Takahashi, S. Yamanaka, *Cell* **126**, 663 (2006).
- K. Takahashi *et al.*, *Cell* **131**, 861 (2007).
- J. Yu *et al.*, *Science* **318**, 1917 (2007).
- I. H. Park *et al.*, *Nature* **451**, 141 (2008).
- S. Yamanaka, *Cell Stem Cell* **1**, 39 (2007).
- Y. Tokuzawa *et al.*, *Mol Cell Biol* **23**, 2699 (2003).
- H. Niwa, K. Yamamura, J. Miyazaki, *Gene* **108**, 193 (1991).
- A. Meissner, M. Wernig, R. Jaenisch, *Nat Biotechnol* (2007).
- R. Blelloch, M. Venere, J. Yen, M. Ramalho-Santos, *Cell Stem Cell* **1**, 245 (2007).
- M. Nakagawa *et al.*, *Nat Biotechnol* (2007).
- X. Yang *et al.*, *Nat Genet* **39**, 295 (2007).
- H. L. Spencer *et al.*, *Mol Biol Cell* **18**, 2838 (2007).
- C. Postic *et al.*, *J Biol Chem* **274**, 305 (1999).
- K. Sakai, J. Miyazaki, *Biochem Biophys Res Commun* **237**, 318 (1997).
- A. W. Nienhuis, C. E. Dunbar, B. P. Sorrentino, *Mol Ther* **13**, 1031 (2006).
- S. Yamanaka, K. S. Poksay, K. S. Arnold, T. L. Innerarity, *Genes Dev* **11**, 321 (1997).
- We thank M. Koyanagi and K. Tanabe for scientific discussion; M. Narita, H. Miyachi, S. Kitano for technical assistance; and R. Kato and R. Iyama for administrative assistance. We also thank J. Miyazaki for CAG-CAT-Z mice, T. Kitamura for Plat-E cells and pMXs retroviral vectors, and R. Farese for RF8 ES cells. This study was supported in part by a grant from the Program for Promotion of Fundamental Studies in Health Sciences of NIBIO, a grant from the Leading Project of MEXT, a grant from Uehara Memorial Foundation, and Grants-in-Aid for Scientific Research of JSPS and MEXT (to S.Y.). T. A. and K.O. are JSPS research fellows. K.Y. is an Inoue fellow.

*Originally published in *Science Express* on 20 December 2007 Science 21 December 2007: Vol.318 no. 5858, pp.1917-1920

ヒト体細胞からの人工多能性幹細胞誘導

Induced Pluripotent Stem Cell Lines Derived from Human Somatic Cells

Junying Yu,^{1,2*} Maxim A. Vodyanik,² Kim Smuga-Otto,^{1,2} Jessica Antosiewicz-Bourget,^{1,2} Jennifer L. Frane,¹ Shulan Tian,³ Jeff Nie,³ Gudrun A. Jonsdottir,³ Victor Ruotti,³ Ron Stewart,³ Igor I. Slukvin,^{2,4} James A. Thomson^{1,2,5*}

¹ Genome Center of Wisconsin, Madison, WI 53706–1580, USA.

² Wisconsin National Primate Research Center, University of Wisconsin-Madison, Madison, WI 53715–1299, USA.

³ WiCell Research Institute, Madison, WI 53707–7365, USA.

⁴ Department of Pathology and Laboratory Medicine, University of Wisconsin-Madison, Madison, WI 53706, USA.

⁵ Department of Anatomy, University of Wisconsin-Madison, Madison, WI 53706–1509, USA.

* To whom correspondence should be addressed. E-mail: jyu@primate.wisc.edu (J.Y.); thomson@primate.wisc.edu (J.A.T.)

体細胞の核移植により、哺乳類の卵に存在するtrans-acting因子が体細胞核を未分化状態に初期化することが可能になる。我々は、4つの転写因子(*Oct4*、*Sox2*、*Nano*、*Lin28*)によって、ヒト体細胞を、ES細胞の主要な特徴を示す多能性幹細胞へと初期化できることを示す。このヒト人工多能性幹細胞は、正常核型、テロメラーゼ活性、ES細胞を特徴づける細胞表面マーカーおよび遺伝子発現、3胚葉系に由来する組織への分化能力を有する。技術的な制約(例えば、ウイルスの挿入による変異)が解消すれば、このようなヒト人工多能性幹細胞は移植医療への応用のみならず、新たな疾患モデルの創出や薬剤の開発において有用なものになるであろう。

哺乳類の胚形成においては、厳密な時間的順序で各発達段階が精巧につくり上げられる。とはいっても、発達はジェネティックな事象よりもむしろエピジェネティックな事象によって決定されるため、分化は原則として可逆的である。ドリーのクローニングによって、哺乳類の分化した細胞に由来する核は、卵細胞内に存在するtrans-acting因子によって未分化状態へ初期化できることが実証され(1)、この発見は、体細胞核移植によらずに同様の初期化を起こしうる因子の探索につながった。最近になって、4つの転写因子(*Oct4*、*Sox2*、*c-myc*、*Klf4*)があれば、マウスの線維芽細胞を未分化な多能性幹細胞[人工万能細胞(iPS細胞)と呼ばれる]へ初期化できることが示された(2-5)。特定の因子によるヒト細胞の

初期化が可能なら、体細胞核移植なしで患者特異的な多能性細胞株を樹立できるであろう。しかし、c-Mycの発現はヒトES細胞の死滅・分化を引き起こすことが観察されていることから、この遺伝子を含まない因子の組み合わせがヒト細胞の初期化には必要であることが示唆される(6)。今回、*OCT4*、*SOX2*、*NANOG*、*LIN28*があれば、ヒト体細胞の初期化が可能であることを報告する。

ヒトES細胞は、細胞融合によって骨髄前駆細胞を初期化することができる(7)。初期化因子候補を特定するため、骨髄前駆細胞と比べてヒトES細胞において高密度で発現している遺伝子のリストを作成し、多能性の確立または維持への既知の関与度に基づいて、リストに優先順位をつけた(表S1)。続いて、これらの遺伝子をクローニングして、レンチウイルスベクターに組み込み(図S1)、相同組換えによって作製した*OCT4*ノックインヒトES細胞株の分化誘導細胞を初期化できる遺伝子の組み合わせがあるかどうかを調べた(8)。この細胞株では、細胞をジェネティシン耐性にさせるネオマイシンホスホトランスフェラーゼの発現が、内在性の*OCT4*プロモーターにより誘導される。*OCT4*は、多能性細胞で高度に発現しているが、分化した細胞では発現しない。したがって、ジェネティシンにより選択することで、*OCT4*プロモーターを再活性化する初期化の事象を捉えることができると考えられる。そこで14遺伝子を選んで組み合わせてみた。

最初の組み合わせ（表 S2）によって、ヒト ES 細胞由来の CD45⁺ 造血細胞から得た接着細胞が初期化され（7, 9）、ES 細胞様の形をしたジェネティシン耐性 (*OCT4*⁺) コロニーが形成された（図 S2A）（10）。これらのジェネティシン耐性コロニーは、典型的なヒト ES 細胞特有の細胞表面マーカーを発現し（図 S2B）、免疫抑制状態の重症複合免疫不全ベージュマウスに注入すると、奇形腫が形成された（図 S2C）。

最初の 14 遺伝子の組み合わせを調べることにより、ヒト ES 細胞から間葉系細胞の特徴を示す体細胞を初期化できる 4 遺伝子 *OCT4*、*SOX2*、*NANOG*、*LIN28* という一組のコアセットを同定した（図 1A、図 S3）。このコアセット、すなわち reprogramming mixture から、*OCT4* または *SOX2* を除去すると、ジェネティシン耐性 (*OCT4*⁺) を示す初期化された間葉系細胞のクローニング出現が見られなくなった（図 1A）。*NANOG* は、ヒト ES 細胞由来の間葉系細胞からのクローニング回収（clone recovery）に有効であったが、そのようなクローニングの出現には必須でなかった（図 1A）。細胞融合を介した初期化実験では、マウス ES 細胞に *Nanog* を過剰発現させると、初期化効率が 200 倍以上増加したことが報告されており（11）、今回の結果はそれと矛盾しない。*NANOG* の発現は、ヒト ES 細胞のクローニング効率も向上させる（12）ことから、早期に初期化された細胞の生存率を高めると考えられる。*LIN28* は、初期化された間葉系細胞のクローニング回収に対し、*Nanog* と同様の傾向はあるがより軽度の影響しか及ぼさなかった（図 1A）。

続いて、*OCT4*、*SOX2*、*NANOG*、*LIN28* が、遺伝子操作されていないヒト 2 倍体初代線維芽細胞を初期化するのに十分であるかどうかを検証した。まず IMR90 胎児線維芽細胞を選択した。これらのヒト 2 倍体細胞は、ENCODE Consortium によってその特性が詳細に明らかにされている（13）のみならず、American Type Culture Collection [(ATCC)、カタログ番号 CCL-186] から容易に入手できるとともに、DNA フィンガープリントが公表されているために初期化されたクローニングの起源の確認が可能であることが、選択の理由であった。IMR90 細胞はまた、老化するまでに 20 繼代以上にわたり活発に増殖するが、ヒト ES 細胞培養条件下では増殖速度

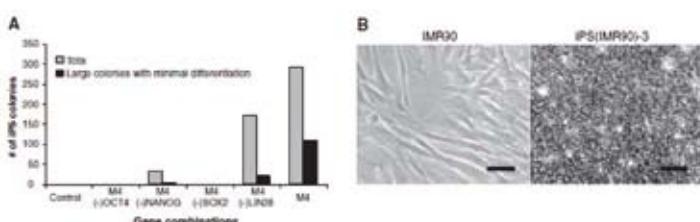


図 1 ヒト *OCT4* ノックイン H1 ES 細胞に由来する間葉系細胞を用いたヒト初期化遺伝子の組み合わせの最適化
(A) M4 (*OCT4*, *NANOG*, *SOX2*, *LIN28*) reprogramming mixture から各遺伝子を除いた場合の影響。ヒト iPS コロニーは、レンチウイルスによる遺伝子導入後 15 日目に計数した。対照は、遺伝子を導入していない細胞、あるいは *NANOG* のみを導入した細胞を表す。調製法の異なる (different preparations) 間葉系細胞を用いた 3 回の独立した実験で、初期化因子の組み合わせから *OCT4* または *SOX2* を個々に除去すると、初期化されたクローニングが出現しなくなったものに対し、*NANOG* または *LIN28* を除いた場合には、初期化されたクローニングは減少したものの、完全にはなくならなかった。表示したデータは 1 回の代表的な実験の結果である。(B) IMR90 線維芽細胞 (p18) と iPS (IMR90) -3 (p18+p18) の明視野像。1 番目の p18 は IMR90 線維芽細胞の継代数、2 番目の p18 は初期化されたクローニングが放射線照射マウス胚線維芽細胞(MEF)上で 18 代継代されたことを表す。スケールバー=50 μm。

は遅くなる。この違いが、初期化されたクローニングの増殖に有利となり、形態学的基準（コンパクトなコロニー、高い核／細胞質比、著明な核小体など）のみによる選択に役立つ（14, 15）。IMR90 細胞に、*OCT4*、*SOX2*、*NANOG*、*LIN28* の組み合わせを導入した。導入から 12 日後に、ヒト ES 細胞の形態を示すコロニー (iPS コロニー) が初めて見えるようになった。20 日目には、当初 90 万個の IMR90 細胞から、計 198 個の iPS コロニーが確認されたが、遺伝子導入のない対照群では iPS コロニーは認められなかった。41 個の iPS コロニーを選択したところ、うち 35 個がさらに 3 週間順調に増殖した。分化度の低い 4 つのクローニング [iPS (IMR90) -1 ~ iPS (IMR90) -4] を選別し、培養を継続するとともに、詳細な解析を行った。

4 つの iPS (IMR90) クローニングはそれぞれ、典型的なヒト ES 細胞の形態を示し（図 1B）、培養 6 週間後および 17 週間後ともに正常核型を有した（図 2A）。各 iPS (IMR90) クローニングは、テロメラーゼ活性（図 2B）と、ヒト ES 細胞に特異的な細胞表面抗原 SSEA-3、SSEA-4、Tra-1-60、Tra-1-81（図 2C）を発現したのに対し、親 IMR90 細胞はこれらを発現しなかった。4 つの iPS (IMR90) クローニングの遺伝子発現をマイクロアレイ解析したところ、5 つのヒト ES 細胞株 (H1, H7, H9, H13, H14) との類似性と、IMR90 細胞との相違性が確認された（図 3、表 S3、図 S4）。各 iPS (IMR90) クローニング間で遺伝子発現にはある程度のばらつきが認められたが（図 S5）、その差は、各ヒト ES 細胞株間の差より小さかった（図 3A、表 S3）。iPS (IMR90) クローニングそれぞれにおいて、内在性 *OCT4* および *NANOG* の発現は、ヒト ES 細胞での発現と同様のレベルであったが、同 2 種の外来性遺伝子の発現はクローニング間、遺伝子間で異なった（図 3B）。*OCT4* については、導入遺伝子からの若干の発現がすべてのクローニングで検出されたが、*NANOG* については、ほとんどのクローニングでわずかな外因性発現が認められたのみであったことから、初期化時の導入遺伝子のサイレンシング（発現抑制）が示唆される。*OCT4* プロモーターのメチル化状態を解析すると、ヒト ES 細胞と IMR90 細胞ではメチル化状態が異なることがわかった（図 S6）。4 つの iPS (IMR90) クローニングはすべて、その脱メチル化パターンがヒト ES 細胞に類似し、親 IMR90 細胞とは異なっていた。胚様体（図 S7）と奇形腫形成（図 4）ではともに、初期化された 4 つの iPS (IMR90) クローニングすべてに、3 胚葉系へと分化する能力が認められた。DNA フィンガープリント解析 [short tandem repeat (STR) マーカーによる] では、これらの iPS クローニングが IMR90 細胞に由来することが確認されるとともに、われわれが研究室に保有するヒト ES 細胞株には由来しないことが確認された（表 S4）。IMR90 細胞については、ATCC ウェブサイトに掲載されている STR 解析と同じプライマーセットが用いられており、これらの実験で用いた IMR90 細胞の同一性が確認できる。iPS (IMR90) クローニングは、ヒト ES 細胞と同じ比率 (1:6)、同じ頻度 (5 日毎) で継代され、倍加時間は同一条件下で評価したヒト H1 ES 細胞株と同等であり（表 S5）、本稿作成時点では、複製停止 (replicative crisis) の期間もなく 22 週間培養が継続されている。最初に 6 ウェルプレートの 4 ウェル分の iPS 細胞 (1 ウェル当たり 1 クローニング、約 100 万細胞に相当) から開始し、さらに 4 週間の培養後、10cm 培養皿計 40 枚分（約 3 億 5,000 万細胞）の iPS (IMR90) クローニング 4 つが凍結保存され、正常核型を有することが確認された。

IMR90 細胞は胎児に由来するため、次に出生後の線維芽細胞の初期化を検討した。ヒト新生児包皮線維芽細胞 (ATCC、カタログ番号 CRL-2097) に、*OCT4*, *SOX2*, *NANOG*, *LIN28* を導入した。60 万個の包皮線維芽細胞から、57 個の iPS コロニーが得られた。遺伝子を導入していない对照群では、iPS コロニーは認められなかつた。選択したコロニー 29 個中 27 個が、3 代にわたり順調に継代された。うち 4 個 [iPS (foreskin) -1 ~ iPS (foreskin) -4] を選択し、培養を継続して解析を行った。iPS (foreskin) クローンの DNA フィンガープリントは、ATCC ウェブサイトに掲載されている親線維芽細胞株のフィンガープリントと一致した (表 S4)。

4 つの iPS (foreskin) クローンはそれぞれ、ヒト ES 細胞の形態を示し (図 S8A)、正常核型を有し (図 S8B)、テロメラーゼ、細胞表面マーカー、およびヒト ES 細胞に特有の遺伝子を発現した (図 2、図 3、図 S5)。4 つの iPS (foreskin) クローンはそれぞれ活発に増殖し、本稿作成の時点まで 17 週間培養が継続されている。胚様体と奇形腫の両方において、各クローンは多系統への分化を示した (図 S9、図 S10)。しかし、iPS (IMR90) クローンとは異なり、クローン間で分化の方向性に差異のあることが、5 週間後に検討した奇形腫で明らかとなった。とくに、神経分化は iPS (foreskin) クローン 1 および 2 による奇形腫で多く認められたが (図 S9A)、iPS

(foreskin) クローン 3 および 4 による奇形腫ではほぼ認められなかつた。そのかわりに、原始外胚葉を示唆する円柱上皮細胞の増殖巣が多数認められた (図 S9D)。これは、胚様体での結果に一致している。胚様体のデータ (図 S10) では、iPS (foreskin) クローン 3 および 4 における *PAX6* (神経マーカー) の増加がその他のクローンに比べて小さく、その差は *NANOG* および *OCT4* の発現が抑制されないことと相関していた。このような差の原因としては、これらのクローンに存在する特定の組み込み部位が、レンチウイルスにより導入された遺伝子の高発現を持続させ、分化を部分的に阻害したことが考えられる。

4 種の導入遺伝子のポリメラーゼ連鎖反応 (PCR) により、*OCT4*, *SOX2*, *NANOG* は 4 つの iPS (IMR90) クローンすべてと、4 つの iPS (foreskin) クローンすべてに組み込まれているが、*LIN28* は 1 つの iPS (IMR90) クローン [iPS (IMR90) -4] と 1 つの iPS (foreskin) クローン [iPS (foreskin) -1] に組み込まれていないことが明らかとなった (図 2D)。したがって *LIN28* は、初期化の頻度に影響を及ぼし得るもの (図 1A)、これらの結果から、初期化の開始に絶対に必要なわけではなく、その後、初期化された細胞の安定した増殖に必須であるわけでもないことが確かめられた。

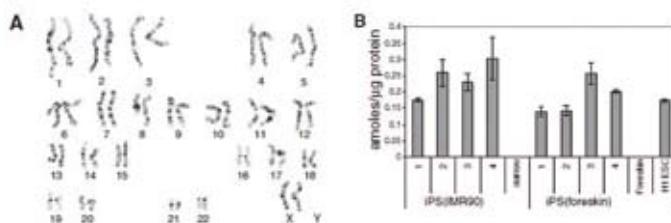
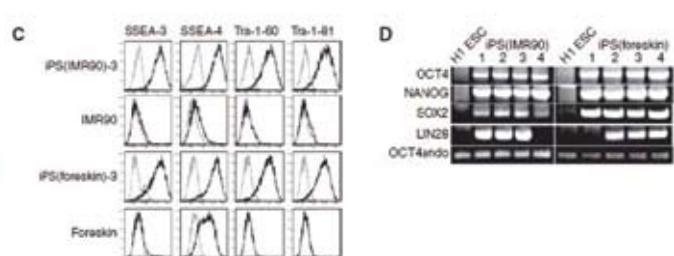


図 2 IMR90 線維芽細胞の初期化

(A) iPS (IMR90) -3 (p18+p23) の G バンド法による染色体分析。(B) 以下のテロメラーゼ活性を示す: iPS (IMR90) -1 ~ iPS (IMR90) -4, p18+p22 (20) [p18 は IMR90 線維芽細胞の継代数を、p22 (20) は初期化されたクローンが、MEF で 2 代、MEF で調整したヒト ES 細胞用培地 (CM) のマトリゲル上で 20 代の計 22 代継代されたことを表す]; IMR90, p18: iPS (foreskin) -1 ~ iPS (foreskin) -4, p10+p9 (5); 包皮、p10; H1 ESC (ヒト H1 ES 細胞)、p63 (13) [MEF で 50 代、CM のマトリゲル上で 13 代の計 63 代継代された]。データは、3 回のテロメラーゼ活性測定による平均 \pm SD



示す。(C) ヒト ES 細胞特異的な細胞表面マーカーのフローサイトメトリーによる発現解析。灰色線、アイソタイプコントロール；黒色線、抗原染色。iPS (IMR90) -3, p18+p5 (3); IMR90, p18: iPS (foreskin) -3, p10+p8 (4); 包皮、p10。 (D) iPSC 細胞におけるプロウイルス組み込み。導入遺伝子に特異的なプライマーを用いて、*OCT4*, *NANOG*, *SOX2*, *LIN28* プロウイルスを増幅した。一方、内在性 *OCT4* 遺伝子 (*OCT4endo*) に特異的なプライマーを、陽性対照として用いた。

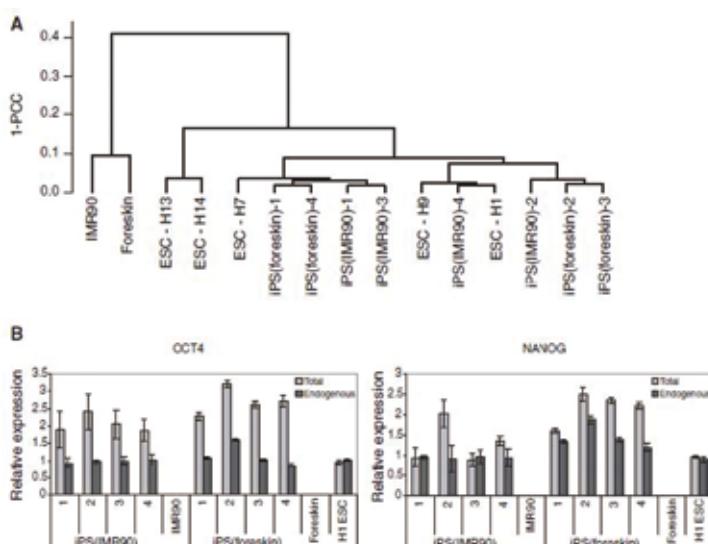


図 3 iPSC 細胞の網羅的遺伝子発現解析

(A) iPS (IMR90) クローン [p18+p6 (4)], IMR90 線維芽細胞 (p19), iPS (foreskin) クローン [p10+p7 (3)], 包皮線維芽細胞 (p10)、5 つのヒト ES 細胞株すなわち H1 [p42 (12)], H7 [p73 (3)], H9 [p50 (5)], H13 [p43 (5)], H14 [p61 (5)] ES 細胞 (GEO accession number GSE9164) における全遺伝子発現 (転写物 47,759 個) に関する Pearson の相関分析。1-PCC、Pearson の相関係数。(B) iPS (IMR90) [p18+p6 (4)] および iPS (foreskin) クローン [p10+p7 (3)] における OCT4 および NANOG 発現の定量的逆転写 PCR 分析。IMR90, p19: 包皮線維芽細胞、p10: H1 ESC, p42 (12)。「内在性 (endogenous)」は、3' 非翻訳領域に含まれるプライマーによって、内在性遺伝子のみの発現が解析されることを表す。一方「トータル (total)」は、コード領域のプライマーによって、内在性遺伝子と、存在するのであれば導入遺伝子の両方の発現が解析されることを表す。データは、3 回の定量 PCR による平均 \pm SD で示す。

今回報告したヒト iPS 細胞は、胚に由来しないという重要な点を除いて、われわれがもともとヒト ES 細胞に提唱した定義基準(14)に合致している。ヒト ES 細胞と同様に、ヒト iPS 細胞は、ヒト組織の発生と機能の研究、新薬の発見と検証、さらに移植医療にも有用となることが期待される。自己免疫疾患は例外として、こうした細胞を用いる移植治療では、患者特異的な iPS 細胞株によって、免疫拒絶への懸念の大部分が解消されるはずである。しかし、これらの細胞が臨床で用いられるようになるまでには、挿入部位に変異を入れる可能性があるゲノムへのベクターの組み込みを回避するための更なる研究が必要であることを、理解しておくことが重要である。医薬品開発においては、ヒト iPS 細胞によって、集団の遺伝的多様性をより厳密に反映した細胞株パネルの作製が容易になり、また特定の疾患の素因がある人から細胞株を樹立することが可能になると期待される。ヒト ES 細胞は、ヒトの着床前胚を破壊して誘導されるため、なお議論の余地はあるが、iPS 細胞ではこの懸念はなくなる。しかし、臨床的に重要な諸問題において、ヒト iPS 細胞が ES 細胞と異なるのか否かについての更なる研究が必要である。

References and Notes

1. I. Wilmut, A. E. Schnieke, J. McWhir, A. J. Kind, K. H. Campbell, *Nature* **385**, 810 (1997).
2. N. Maherali *et al.*, *Cell Stem Cell* **1**, 55 (2007).
3. K. Okita, T. Ichisaka, S. Yamanaka, *Nature* **448**, 313 (2007).
4. K. Takahashi, S. Yamanaka, *Cell* **126**, 663 (2006).
5. M. Wernig *et al.*, *Nature* **448**, 318 (2007).
6. T. Sumi, N. Tsuneyoshi, N. Nakatsuji, H. Suemori, *Oncogene* **26**, 5564 (2007).
7. J. Yu, M. A. Vodyanik, P. He, I. L. Slukvin, J. A. Thomson, *Stem Cells* **24**, 168 (2006).
8. T. P. Zwaka, J. A. Thomson, *Nat. Biotechnol.* **21**, 319 (2003).
9. M. A. Vodyanik, J. A. Bork, J. A. Thomson, I. L. Slukvin, *Blood* **105**, 617 (2005).
10. Materials and methods are available as supporting material on Science Online.
11. J. Silva, I. Chambers, S. Pollard, A. Smith, *Nature* **441**, 997 (2006).
12. H. Darr, Y. Mayshar, N. Benvenisty, *Development* **133**, 1193 (2006).
13. E. Birney *et al.*, *Nature* **447**, 799 (2007).
14. J. A. Thomson *et al.*, *Science* **282**, 1145 (1998).
15. A. Meissner, M. Wernig, R. Jaenisch, *Nat. Biotechnol.* **25**, 1177 (2007).
16. We thank the Charlotte Geyer Foundation for their support. Other funding included NIH grants P51 RR000167 and P20 GM069981. We thank K. J. Heidarsdottir, B. K. Gisladottir, M. Probasco, and C. Glennon for technical assistance, and D. J. Faupel for critical reading of the manuscript. The authors declare competing financial interests. J.A.T. owns stock, serves on the Board of Directors, and serves as Chief Scientific Officer of Cellular Dynamics International and Stem Cell Products. J.A.T. also serves as Scientific Director of the WiCell Research Institute. Microarray data have been deposited in the Gene Expression Omnibus (GEO) database (accession number GSE9164).

おわりに

邦訳につきましては細心の注意を払っておりますが、情報の正確性、専門性について、*Science* およびコスモ・バイオはいかなる責任を負うものではありません。正確な情報は必ず原文でご確認ください。

監修：京都大学再生医科学研究所 生殖誘導研究分野 青井 貴之先生

協力：AAAS / *Science* Japan

提供：コスモ・バイオ株式会社

表紙：イメージ写真（フィーダー細胞上でのサル ES 細胞増殖像から）

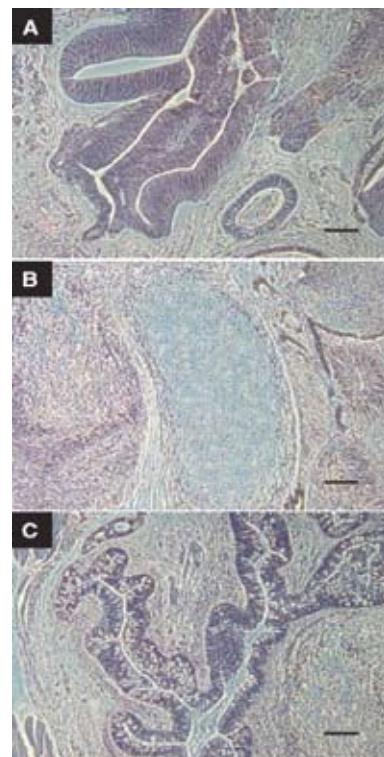


図 4 iPS (IMR90) 細胞の多能性

iPS (IMR90) - 1 (注入 9 週間後) の奇形腫切片のヘマトキシリソ - エオジン染色。MEF 上の 6 ウェルプレート 2 枚分の iPS (IMR90) - 1 細胞 (密度約 60 ~ 70%) をマウス 2 匹の後肢筋に注入した。最初の遺伝子導入から 7 週間後および 15 週間後に注入した、4 つの iPS (IMR90) クローンすべてから奇形腫が得られた。2 匹の対照マウスそれぞれに、約 1,200 万個の IMR90 (p19) 線維芽細胞を注入したが、奇形腫は形成されなかった。(A) 神経組織 (外胚葉) ; (B) 軟骨 (中胚葉) ; (C) 腸上皮 (内胚葉)。スケールバー = 0.1 mm。

この企画には、AAAS/Science Japan と山中伸弥先生のご協力を頂戴いたしました。
ここにあらためて感謝申し上げます。

コスモ・バイオは、再生医学や関連技術、そして広く生命科学の進歩進展に貢献できれば幸いと考えます。
関連試薬、培地などお気軽にご相談ください。

発行責任者

コスモ・バイオ株式会社

製品情報部 櫻井治久

〒135-0016 東京都江東区東陽二丁目 2-20

e-mail: service@cosmobio.co.jp