KINOMEscan Gene Symbol	Entrez Gene Symbol	Accession	scan MAX	scan EDGE	scan LIPID	scan TK	scan ELECT	scan MODE	scan KINETIC	Kd ELECT	Kd MAX
AAK1	AAK1	NP_055726.3	○				○		○	○	○
ABL1(E255K)-phosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○	○		○	○		○	○	○
ABL1(F317I)-nonphosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○			○	○	○		○	○
ABL1(F317I)-phosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○			○	○	○	○	○	○
ABL1(F317L)-nonphosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○			○	○	○		○	○
ABL1(F317L)-phosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○			○	○	○		○	○
ABL1(H396P)-nonphosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○			○	○	○	○	○	○
ABL1(H396P)-phosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○			○	○	○	○	○	○
ABL1(M351T)-phosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○			○	○			○	○
ABL1(Q252H)-nonphosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○			○	○	○	○	○	○
ABL1(Q252H)-phosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○			○	○	○	○	○	○
ABL1(T315I)-nonphosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○			○	○	○	○	○	○
ABL1(T315I)-phosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○	○		○	○	○	○	○	○
ABL1(Y253F)-phosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○			○	○		○	○	○
ABL1-nonphosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○	○		○	○	○	○	○	○
ABL1-phosphorylated	ABL1	NP_005148.2	○	○		○	○	○	○	○	○
ABL2	ABL2	NP_005149.4	○			○	○		○	○	○
ACVR1	ACVR1	NP_001096.1	○				○		○	○	○
ACVR1B	ACVR1B	NP_004293.1	○	○			○			○	○
ACVR2A	ACVR2A	NP_001607.1	○				○			○	○
ACVR2B	ACVR2B	NP_001097.2	○				○		○	○	○
ACVRL1	ACVRL1	NP_000011.1	○				○			○	○
ADCK3	CABC1	NP_064632.2	○	○			○			○	○
ADCK4	ADCK4	NP_079152.3	○				○			○	○
AKT1	AKT1	NP_005154.2	○	○			○		○	○	○
AKT2	AKT2	NP_001617.1	○	○			○			○	○
AKT3	AKT3	NP_005456.1	○				○		○	○	○
ALK	ALK	NP_004295.2	○	○		○	○		○	○	○
ALK(C1156Y)	ALK	NP_004295.2	○			○	○		○	○	○
ALK(L1196M)	ALK	NP_004295.2	○			○	○		○	○	○
AMPK-alpha1	PRKAA1	BAA36547.1	○				○			○	○
AMPK-alpha2	PRKAA2	NP_006243.2	○				○			○	○
ANKK1	ANKK1	NP_848605.1	○				○		○	○	○
ARK5	NUAK1	NP_055655.1	○				○		○	○	○
ASK1	MAP3K5	NP_005914.1	○				○			○	○
ASK2	MAP3K6	NP_004663.3	○				○		○	○	○
AURKA	AURKA	NP_003591.2	○	○			○		○	○	○
AURKB	AURKB	EAW90073.1	○	○			○		○	○	○
AURKC	AURKC	AAC77369.1	○				○			○	○
AXL	AXL	NP_001690.2	○	○		○	○		○	○	○
BIKE	BMP2K	NP_060063.2	○				○			○	○
BLK	BLK	NP_001706.2	○			○	○		○	○	○
BMPR1A	BMPR1A	NP_004320.2	○				○			○	○
BMPR1B	BMPR1B	NP_001194.1	○				○		○	○	○
BMPR2	BMPR2	NP_001195.2	○	○			○		○	○	○
BMX	BMX	NP_001712.1	○			○	○		○	○	○
BRAF	BRAF	NP_004324.2	○	○			○		○	○	○
BRAF(V600E)	BRAF	NP_004324.2	○	○			○		○	○	○
BRK	PTK6	NP_005966.1	○			○	○		○	○	○
BRSK1	BRSK1	NP_115806.1	○				○			○	○
BRSK2	BRSK2	EAX02438.1	○				○			○	○
BTK	BTK	NP_000052.1	○	○		○	○		○	○	○
BUB1	BUB1	NP_004327.1	○				○		○	○	○
CAMK1	CAMK1	NP_003647.1	○				○			○	○
CAMK1B	PNCK	EAW72835.1	○				○			○	○
CAMK1D	CAMK1D	NP_065130.1	○				○			○	○
CAMK1G	CAMK1G	NP_065172.1	○				○		○	○	○
CAMK2A	CAMK2A	NP_741960.1	○				○			○	○
CAMK2B	CAMK2B	NP_001211.3	○				○			○	○
CAMK2D	CAMK2D	AAD20442.1	○				○		○	○	○
CAMK2G	CAMK2G	NP_751913.1	○				○			○	○
CAMK4	CAMK4	NP_001735.1	○				○		○	○	○
CAMKK1	CAMKK1	NP_115670.1	○				○			○	○
CAMKK2	CAMKK2	NP_006540.3	○				○			○	○
CASK	CASK	NP_003679.2	○				○			○	○
CDC2L1	CDK11B	NP_277023.1	○				○			○	○
CDC2L2	CDC2L2	NP_076916.1	○				○			○	○
CDC2L5	CDK13	NP_003709.3	○				○		○	○	○
CDK11	CDK19	NP_055891.1	○	○			○		○	○	○
CDK2	CDK2	NP_001789.2	○	○			○			○	○
CDK3	CDK3	NP_001249.1	○	○			○			○	○
CDK4	CDK4	NP_000066.1	○				○			○	○
CDK4-cyclinD1	CDK4	NP_000066.1	○				○			○	○
CDK4-cyclinD3	CDK4	NP_000066.1	○				○		○	○	○
CDK5	CDK5	NP_004926.1	○				○			○	○
CDK7	CDK7	NP_001790.1	○	○			○		○	○	○
CDK8	CDK8	NP_001251.1	○				○			○	○
CDK9	CDK9	NP_001252.1	○	○			○		○	○	○
CDKL1	CDKL1	NP_004187.2	○				○		○	○	○
CDKL2	CDKL2	NP_003939.1	○				○			○	○
CDKL3	CDKL3	NP_001107047.1	○				○		○	○	○
CDKL5	CDKL5	NP_003150.1	○				○		○	○	○
CHEK1	CHEK1	NP_001265.2	○	○			○			○	○
CHEK2	CHEK2	NP_001005735.1	○				○		○	○	○
CIT	CIT	NP_009105.1	○				○		○	○	○
CLK1	CLK1	AAA61480.1	○				○			○	○
CLK2	CLK2	NP_003984.2	○				○		○	○	○
CLK3	CLK3	NP_003983.2	○				○		○	○	○
CLK4	CLK4	NP_065717.1	○				○			○	○
CSF1R	CSF1R	NP_005202.2	○	○		○	○	○	○	○	○
CSF1R-autoinhibited	CSF1R	NP_005202.2	○			○	○	○		○	○
CSK	CSK	NP_004374.1	○			○	○		○	○	○
CSNK1A1	CSNK1A1	NP_001883.4	○				○			○	○
CSNK1A1L	CSNK1A1L	NP_660204.1	○				○			○	○
CSNK1D	CSNK1D	NP_620693.1	○	○			○		○	○	○

KINOMEscan Gene Symbol	Entrez Gene Symbol	Accession	scan MAX	scan EDGE	scan LIPID	scan TK	scan ELECT	scan MODE	scan KINETIC	Kd ELECT	Kd MAX
CSNK1E	CSNK1E	NP_001885.1	○				○		○	○	○
CSNK1G1	CSNK1G1	NP_071331.2	○				○			○	○
CSNK1G2	CSNK1G2	NP_001310.2	○	○			○			○	○
CSNK1G3	CSNK1G3	NP_004375.2	○				○			○	○
CSNK2A1	CSNK2A1	NP_001886.1	○				○		○	○	○
CSNK2A2	CSNK2A2	NP_001887.1	○				○		○	○	○
CTK	MATK	NP_002369.2	○			○	○			○	○
DAPK1	DAPK1	NP_004929.2	○				○		○	○	○
DAPK2	DAPK2	NP_055141.2	○				○			○	○
DAPK3	DAPK3	NP_001339.1	○				○			○	○
DCAMKL1	DCLK1	NP_004725.1	○	○			○			○	○
DCAMKL2	DCLK2	NP_001035351.3	○				○			○	○
DCAMKL3	DCLK3	NP_208382.1	○				○		○	○	○
DDR1	DDR1	NP_001945.3	○			○	○		○	○	○
DDR2	DDR2	CAA52777.1	○			○	○			○	○
DLK	MAP3K12	NP_006292.2	○				○			○	○
DMPK	DMPK	NP_004400.4	○				○		○	○	○
DMPK2	CDC42BPG	NP_059995.2	○				○		○	○	○
DRAK1	STK17A	NP_004751.1	○				○			○	○
DRAK2	STK17B	NP_004217.1	○				○		○	○	○
DYRK1A	DYRK1A	NP_569121.1	○				○		○	○	○
DYRK1B	DYRK1B	NP_004705.1	○	○			○			○	○
DYRK2	DYRK2	NP_003574.1	○				○		○	○	○
EGFR	EGFR	NP_005219.2	○	○		○	○			○	○
EGFR(E746-A750del)	EGFR	NP_005219.2	○			○	○			○	○
EGFR(G719C)	EGFR	NP_005219.2	○			○	○		○	○	○
EGFR(G719S)	EGFR	NP_005219.2	○			○	○		○	○	○
EGFR(L747-E749del, A750P)	EGFR	NP_005219.2	○			○	○			○	○
EGFR(L747-S752del, P753S)	EGFR	NP_005219.2	○			○	○			○	○
EGFR(L747-T751del,Sins)	EGFR	NP_005219.2	○			○	○			○	○
EGFR(L858R)	EGFR	NP_005219.2	○	○		○	○		○	○	○
EGFR(L858R,T790M)	EGFR	NP_005219.2	○			○	○		○	○	○
EGFR(L861Q)	EGFR	NP_005219.2	○			○	○		○	○	○
EGFR(S752-I759del)	EGFR	NP_005219.2	○			○	○			○	○
EGFR(T790M)	EGFR	NP_005219.2	○			○	○		○	○	○
EIF2AK1	EIF2AK1	NP_055228.2	○				○		○	○	○
EPHA1	EPHA1	NP_005223.4	○			○	○		○	○	○
EPHA2	EPHA2	NP_004422.2	○	○		○	○			○	○
EPHA3	EPHA3	NP_005224.2	○			○	○		○	○	○
EPHA4	EPHA4	NP_004429.1	○			○	○			○	○
EPHA5	EPHA5	NP_872272.2	○			○	○			○	○
EPHA6	EPHA6	NP_001073917.2	○			○	○		○	○	○
EPHA7	EPHA7	NP_004431.1	○			○	○			○	○
EPHA8	EPHA8	NP_065387.1	○			○	○			○	○
EPHB1	EPHB1	NP_004432.1	○			○	○			○	○
EPHB2	EPHB2	NP_059145.2	○			○	○			○	○
EPHB3	EPHB3	NP_004434.2	○			○	○			○	○
EPHB4	EPHB4	NP_004435.3	○			○	○			○	○
EPHB6	EPHB6	NP_004436.2	○			○	○		○	○	○
ERBB2	ERBB2	NP_001005862.1	○	○		○	○			○	○
ERBB3	ERBB3	NP_001973.2	○			○	○			○	○
ERBB4	ERBB4	NP_001036064.1	○	○		○	○		○	○	○
ERK1	MAPK3	NP_002737.2	○	○			○			○	○
ERK2	MAPK1	NP_620407.1	○				○			○	○
ERK3	MAPK6	NP_002739.1	○				○		○	○	○
ERK4	MAPK4	NP_002738.2	○				○			○	○
ERK5	MAPK7	NP_002740.2	○				○			○	○
ERK8	MAPK15	NP_620590.2	○				○			○	○
ERN1	ERN1	NP_001424.3	○				○			○	○
FAK	PTK2	NP_722560.1	○	○		○	○		○	○	○
FER	FER	NP_005237.2	○			○	○			○	○
FES	FES	NP_001996.1	○			○	○			○	○
FGFR1	FGFR1	NP_075593.1	○			○	○		○	○	○
FGFR2	FGFR2	NP_075259.4	○	○		○	○			○	○
FGFR3	FGFR3	NP_000133.1	○	○		○	○		○	○	○
FGFR3(G697C)	FGFR3	NP_000133.1	○			○	○		○	○	○
FGFR4	FGFR4	NP_075252.2	○			○	○		○	○	○
FGR	FGR	NP_005239.1	○			○	○		○	○	○
FLT1	FLT1	NP_002010.2	○			○	○			○	○
FLT3	FLT3	NP_004110.2	○	○		○	○	○	○	○	○
FLT3(D835H)	FLT3	NP_004110.2	○			○	○			○	○
FLT3(D835V)	FLT3	NP_004110.2	○			○	○		○	○	○
FLT3(D835Y)	FLT3	NP_004110.2	○			○	○			○	○
FLT3(ITD)	FLT3	NP_004110.2	○			○	○			○	○
FLT3(ITD,D835V)	FLT3	NP_004110.2	○			○	○		○	○	○
FLT3(ITD,F691L)	FLT3	NP_004110.2	○			○	○		○	○	○
FLT3(K663Q)	FLT3	NP_004110.2	○			○	○			○	○
FLT3(N841I)	FLT3	NP_004110.2	○			○	○			○	○
FLT3(R834Q)	FLT3	NP_004110.2	○			○	○		○	○	○
FLT3-autoinhibited	FLT3	NP_004110.2	○			○	○	○	○	○	○
FLT4	FLT4	NP_002011.1	○			○	○		○	○	○
FRK	FRK	NP_002022.1	○			○	○		○	○	○
FYN	FYN	NP_694592.1	○			○	○		○	○	○
GAK	GAK	NP_005246.2	○				○		○	○	○
GCN2(Kin.Dom.2,S808G)	EIF2AK4	NP_001013725.2	○				○		○	○	○
GRK1	GRK1	NP_002920.1	○				○		○	○	○
GRK2	ADRBK1	NP_001610.2	○				○			○	○
GRK3	ADRBK2	NP_005151.2	○				○			○	○
GRK4	GRK4	NP_892027.2	○				○			○	○
GRK7	GRK7	NP_631948.1	○				○		○	○	○
GSK3A	GSK3A	NP_063937.2	○				○		○	○	○
GSK3B	GSK3B	NP_002084.2	○	○			○		○	○	○
HASPIN	GSG2	NP_114171.2	○				○		○	○	○
HCK	HCK	NP_002101.2	○			○	○		○	○	○
HIPK1	HIPK1	NP_689909.2	○				○		○	○	○

KINOMEscan Gene Symbol	Entrez Gene Symbol	Accession	scan MAX	scan EDGE	scan LIPID	scan TK	scan ELECT	scan MODE	scan KINETIC	Kd ELECT	Kd MAX
HIPK2	HIPK2	NP_073577.3	○				○		○	○	○
HIPK3	HIPK3	NP_005725.3	○				○		○	○	○
HIPK4	HIPK4	NP_653286.2	○				○		○	○	○
HPK1	MAP4K1	NP_001036065.1	○				○			○	○
HUNK	HUNK	NP_055401.1	○				○			○	○
ICK	ICK	NP_055735.1	○				○		○	○	○
IGF1R	IGF1R	NP_000866.1	○	○		○	○		○	○	○
IKK-alpha	CHUK	NP_001269.3	○	○			○			○	○
IKK-beta	IKBKB	NP_001547.1	○	○			○			○	○
IKK-epsilon	IKBKE	NP_054721.1	○				○			○	○
INSR	INSR	NP_000199.2	○	○		○	○		○	○	○
INSRR	INSRR	NP_055030.1	○			○	○		○	○	○
IRAK1	IRAK1	NP_001560.2	○				○		○	○	○
IRAK3	IRAK3	NP_009130.1	○				○			○	○
IRAK4	IRAK4	NP_057207.2	○				○			○	○
ITK	ITK	NP_005537.3	○			○	○			○	○
JAK1(JH1domain-catalytic)	JAK1	NP_002218.2	○			○	○		○	○	○
JAK1(JH2domain-pseudokinase)	JAK1	NP_002218.1	○			○	○		○	○	○
JAK2(JH1domain-catalytic)	JAK2	NP_004963.1	○	○		○	○		○	○	○
JAK3(JH1domain-catalytic)	JAK3	NP_000206.2	○	○		○	○		○	○	○
JNK1	MAPK8	NP_002741.1	○	○			○		○	○	○
JNK2	MAPK9	NP_620707.1	○	○			○		○	○	○
JNK3	MAPK10	NP_002744.1	○	○			○		○	○	○
KIT	KIT	NP_000213.1	○	○		○	○	○	○	○	○
KIT(A829P)	KIT	NP_000213.1	○			○	○			○	○
KIT(D816H)	KIT	NP_000213.1	○			○	○		○	○	○
KIT(D816V)	KIT	NP_000213.1	○	○		○	○		○	○	○
KIT(L576P)	KIT	NP_000213.1	○			○	○			○	○
KIT(V559D)	KIT	NP_000213.1	○			○	○		○	○	○
KIT(V559D,T670I)	KIT	NP_000213.1	○	○		○	○		○	○	○
KIT(V559D,V654A)	KIT	NP_000213.1	○			○	○		○	○	○
KIT-autoinhibited	KIT	NP_000213.1	○			○	○	○	○	○	○
LATS1	LATS1	NP_004681.1	○				○			○	○
LATS2	LATS2	NP_055387.1	○				○		○	○	○
LCK	LCK	NP_005347.3	○			○	○		○	○	○
LIMK1	LIMK1	NP_002305.1	○				○			○	○
LIMK2	LIMK2	NP_005560.1	○				○			○	○
LKB1	STK11	NP_000446.1	○	○			○			○	○
LOK	STK10	NP_005981.3	○				○		○	○	○
LRRK2	LRRK2	NP_940980.3	○				○		○	○	○
LRRK2(G2019S)	LRRK2	NP_940980.3	○				○			○	○
LTK	LTK	NP_996844.1	○			○	○		○	○	○
LYN	LYN	NP_002341.1	○			○	○		○	○	○
LZK	MAP3K13	NP_004712.1	○				○		○	○	○
MAK	MAK	NP_005897.1	○				○			○	○
MAP3K1	MAP3K1	NP_005912.1	○				○			○	○
MAP3K15	MAP3K15	NP_001001671.3	○				○			○	○
MAP3K2	MAP3K2	NP_006600.3	○				○		○	○	○
MAP3K3	MAP3K3	NP_002392.2	○				○		○	○	○
MAP3K4	MAP3K4	NP_005913.2	○	○			○		○	○	○
MAP4K2	MAP4K2	NP_004570.2	○				○		○	○	○
MAP4K3	MAP4K3	NP_003609.2	○				○			○	○
MAP4K4	MAP4K4	NP_663719.1	○				○			○	○
MAP4K5	MAP4K5	NP_006566.2	○				○			○	○
MAPKAPK2	MAPKAPK2	NP_116584.2	○	○			○			○	○
MAPKAPK5	MAPKAPK5	NP_003659.2	○				○		○	○	○
MARK1	MARK1	NP_061120.3	○				○			○	○
MARK2	MARK2	NP_059672.2	○				○			○	○
MARK3	MARK3	NP_002367.4	○	○			○			○	○
MARK4	MARK4	NP_113605.2	○				○			○	○
MAST1	MAST1	NP_055790.1	○				○			○	○
MEK1	MAP2K1	NP_002746.1	○	○			○		○	○	○
MEK2	MAP2K2	NP_109587.1	○	○			○		○	○	○
MEK3	MAP2K3	NP_002747.2	○				○		○	○	○
MEK4	MAP2K4	NP_003001.1	○				○		○	○	○
MEK5	MAP2K5	NP_660143.1	○				○			○	○
MEK6	MAP2K6	NP_002749.2	○				○			○	○
MELK	MELK	NP_055606.1	○				○			○	○
MERTK	MERTK	AAB60430.1	○			○	○		○	○	○
MET	MET	NP_000236.2	○	○		○	○		○	○	○
MET(M1250T)	MET	NP_000236.2	○			○	○		○	○	○
MET(Y1235D)	MET	NP_000236.2	○			○	○			○	○
MINK	MINK1	NP_001020108.1	○				○			○	○
MKK7	MAP2K7	NP_660186.1	○				○		○	○	○
MKNK1	MKNK1	NP_001129025.1	○	○			○		○	○	○
MKNK2	MKNK2	NP_060042.2	○	○			○		○	○	○
MLCK	MYLK3	NP_872299.2	○				○		○	○	○
MLK1	MAP3K9	NP_149132.2	○	○			○		○	○	○
MLK2	MAP3K10	NP_002437.2	○				○			○	○
MLK3	MAP3K11	NP_002410.1	○				○		○	○	○
MRCKA	CDC42BPA	NP_003598.2	○				○			○	○
MRCKB	CDC42BPB	NP_006026.3	○				○			○	○
MST1	STK4	NP_006273.1	○				○			○	○
MST1R	MST1R	NP_002438.2	○			○	○			○	○
MST2	STK3	NP_006272.1	○				○			○	○
MST3	STK24	NP_003567.2	○				○			○	○
MST4	MST4	NP_057626.2	○				○		○	○	○
MTOR	MTOR	NP_004949.1	○				○			○	○
MUSK	MUSK	NP_005583.1	○			○	○		○	○	○
MYLK	MYLK	NP_444254.3	○				○		○	○	○
MYLK2	MYLK2	NP_149109.1	○				○		○	○	○
MYLK4	MYLK4	NP_001012418.1	○				○		○	○	○
MYO3A	MYO3A	NP_059129.3	○				○			○	○
MYO3B	MYO3B	NP_001077084.2	○				○			○	○
NDR1	STK38	NP_009202.1	○				○		○	○	○

KINOMEscan Gene Symbol	Entrez Gene Symbol	Accession	scan MAX	scan EDGE	scan LIPID	scan TK	scan ELECT	scan MODE	scan KINETIC	Kd ELECT	Kd MAX
NDR2	STK38L	NP_055815.1	○				○			○	○
NEK1	NEK1	NP_036356.1	○				○			○	○
NEK10	NEK10	NP_955379.2	○				○			○	○
NEK11	NEK11	NP_665917.1	○				○		○	○	○
NEK2	NEK2	NP_002488.1	○				○			○	○
NEK3	NEK3	NP_002489.1	○				○		○	○	○
NEK4	NEK4	NP_003148.2	○				○			○	○
NEK5	NEK5	NP_954983.1	○				○			○	○
NEK6	NEK6	NP_055212.2	○				○			○	○
NEK7	NEK7	NP_598001.1	○				○		○	○	○
NEK9	NEK9	NP_149107.4	○				○			○	○
NIK	NIK	NP_003945.2	○				○			○	○
NIM1	MGC42105	NP_699192.1	○				○		○	○	○
NLK	NLK	NP_057315.3	○				○		○	○	○
OSR1	OXSR1	NP_005100.1	○				○		○	○	○
p38-alpha	MAPK14	NP_620581.1	○	○			○			○	○
p38-beta	MAPK11	NP_002742.3	○	○			○			○	○
p38-delta	MAPK13	NP_002745.1	○				○			○	○
p38-gamma	MAPK12	AAB40118.1	○				○			○	○
PAK1	PAK1	NP_002567.3	○	○			○			○	○
PAK2	PAK2	AAA65442.1	○	○			○			○	○
PAK3	PAK3	NP_002569.1	○				○			○	○
PAK4	PAK4	NP_001014834.1	○	○			○		○	○	○
PAK6	PAK6	NP_064553.1	○				○			○	○
PAK7	PAK7	NP_065074.1	○				○			○	○
PCTK1	CDK16	NP_006192.1	○	○			○		○	○	○
PCTK2	CDK17	CAA47004.1	○				○			○	○
PCTK3	CDK18	NP_002587.2	○				○		○	○	○
PDGFRA	PDGFRA	NP_006197.1	○	○		○	○		○	○	○
PDGFRB	PDGFRB	NP_002600.1	○	○		○	○		○	○	○
PDPK1	PDPK1	NP_002604.1	○	○			○			○	○
PFCDPK1(P.falciparum)	CDPK1	XP_001349680.1	○				○			○	○
PFPK5(P.falciparum)	MAL13P1.279	XP_001350280.1	○				○		○	○	○
PFTAIRE2	CDK15	NP_631897.1	○				○		○	○	○
PFTK1	CDK14	NP_036527.1	○				○			○	○
PHKG1	PHKG1	NP_006204.1	○				○			○	○
PHKG2	PHKG2	NP_000285.1	○				○		○	○	○
PIK3C2B	PIK3C2B	NP_002637.2	○	○	○		○		○	○	○
PIK3C2G	PIK3C2G	NP_004561.2	○		○		○			○	○
PIK3CA	PIK3CA	NP_006209.2	○	○	○		○		○	○	○
PIK3CA(C420R)	PIK3CA	NP_006209.2	○		○		○		○	○	○
PIK3CA(E542K)	PIK3CA	NP_006209.2	○		○		○		○	○	○
PIK3CA(E545A)	PIK3CA	NP_006209.2	○		○		○		○	○	○
PIK3CA(E545K)	PIK3CA	NP_006209.2	○		○		○		○	○	○
PIK3CA(H1047L)	PIK3CA	NP_006209.2	○		○		○			○	○
PIK3CA(H1047Y)	PIK3CA	NP_006209.2	○		○		○			○	○
PIK3CA(I800L)	PIK3CA	NP_006209.2	○		○		○			○	○
PIK3CA(M1043I)	PIK3CA	NP_006209.2	○		○		○			○	○
PIK3CA(Q546K)	PIK3CA	NP_006209.2	○		○		○		○	○	○
PIK3CB	PIK3CB	NP_006210.1	○		○		○			○	○
PIK3CD	PIK3CD	NP_005017.2	○		○		○			○	○
PIK3CG	PIK3CG	NP_002640.2	○	○	○		○		○	○	○
PIK4CB	PI4KB	NP_002642.1	○		○		○		○	○	○
PIKFYVE	PIKFYVE	NP_055855.2	○		○		○			○	○
PIM1	PIM1	NP_002639.1	○	○			○		○	○	○
PIM2	PIM2	NP_006866.2	○	○			○			○	○
PIM3	PIM3	NP_001001852.1	○	○			○			○	○
PIP5K1A	PIP5K1A	NP_001129110.1	○		○		○			○	○
PIP5K1C	PIP5K1C	NP_036530.1	○		○		○			○	○
PIP5K2B	PIP4K2B	NP_003550.1	○		○		○			○	○
PIP5K2C	PIP4K2C	NP_079055.2	○		○		○			○	○
PKAC-alpha	PRKACA	NP_002721.1	○	○			○			○	○
PKAC-beta	PRKACB	NP_002722.1	○				○			○	○
PKMYT1	PKMYT1	NP_872629.1	○				○			○	○
PKN1	PKN1	NP_998725.1	○				○			○	○
PKN2	PKN2	NP_006247.1	○				○			○	○
PKNB(M.tuberculosis)	pknB	NP_214528.1	○				○			○	○
PLK1	PLK1	NP_005021.2	○	○			○		○	○	○
PLK2	PLK2	NP_006613.2	○				○		○	○	○
PLK3	PLK3	NP_004064.2	○	○			○		○	○	○
PLK4	PLK4	NP_055079.2	○	○			○		○	○	○
PRKCD	PRKCD	NP_006245.2	○				○		○	○	○
PRKCE	PRKCE	NP_005391.1	○	○			○			○	○
PRKCH	PRKCH	NP_006246.2	○				○			○	○
PRKCI	PRKCI	NP_002731.3	○				○		○	○	○
PRKCQ	PRKCQ	NP_006248.1	○				○			○	○
PRKD1	PRKD1	NP_002733.2	○				○		○	○	○
PRKD2	PRKD2	NP_057541.2	○				○		○	○	○
PRKD3	PRKD3	NP_005804.1	○				○			○	○
PRKG1	PRKG1	NP_006249.1	○				○			○	○
PRKG2	PRKG2	NP_006250.1	○				○		○	○	○
PRKR	EIF2AK2	NP_002750.1	○				○			○	○
PRKX	PRKX	NP_005035.1	○				○			○	○
PRP4	PRPF4B	NP_003904.3	○				○			○	○
PYK2	PTK2B	NP_775267.1	○			○	○			○	○
QSK	KIAA0999	BAA76843.2	○				○			○	○
RAF1	RAF1	NP_002871.1	○	○			○			○	○
RET	RET	NP_065681.1	○	○		○	○		○	○	○
RET(M918T)	RET	NP_065681.1	○			○	○		○	○	○
RET(V804L)	RET	NP_065681.1	○			○	○		○	○	○
RET(V804M)	RET	NP_065681.1	○			○	○		○	○	○
RIOK1	RIOK1	NP_113668.2	○				○			○	○
RIOK2	RIOK2	NP_060813.2	○	○			○		○	○	○
RIOK3	RIOK3	NP_003822.2	○				○			○	○
RIPK1	RIPK1	NP_003795.2	○				○		○	○	○

KINOMEscan Gene Symbol	Entrez Gene Symbol	Accession	scan MAX	scan EDGE	scan LIPID	scan TK	scan ELECT	scan MODE	scan KINETIC	Kd ELECT	Kd MAX
RIPK2	RIPK2	NP_003812.1	○				○			○	○
RIPK3	RIPK3	NP_006862.2								○	○
RIPK4	RIPK4	NP_065690.2	○				○			○	○
RIPK5	DSTYK	Q6XUX3.1	○				○		○	○	○
ROCK1	ROCK1	NP_005397.1	○				○			○	○
ROCK2	ROCK2	NP_004841.2	○	○			○		○	○	○
ROS1	ROS1	NP_002935.2	○			○	○			○	○
RPS6KA4(Kin.Dom.1-N-terminal)	RPS6KA4	NP_001006945.1	○				○			○	○
RPS6KA4(Kin.Dom.2-C-terminal)	RPS6KA4	NP_003933.1	○				○		○	○	○
RPS6KA5(Kin.Dom.1-N-terminal)	RPS6KA5	NP_872198.1	○				○		○	○	○
RPS6KA5(Kin.Dom.2-C-terminal)	RPS6KA5	NP_004746.2	○				○		○	○	○
RSK1(Kin.Dom.1-N-terminal)	RPS6KA1	NP_002944.2	○				○			○	○
RSK1(Kin.Dom.2-C-terminal)	RPS6KA1	NP_002944.2	○				○			○	○
RSK2(Kin.Dom.1-N-terminal)	RPS6KA3	NP_004577.1	○	○			○		○	○	○
RSK2(Kin.Dom.2-C-terminal)	RPS6KA3	NP_004577.1	○				○			○	○
RSK3(Kin.Dom.1-N-terminal)	RPS6KA2	NP_066958.2	○				○		○	○	○
RSK3(Kin.Dom.2-C-terminal)	RPS6KA2	NP_001006933.1	○				○			○	○
RSK4(Kin.Dom.1-N-terminal)	RPS6KA6	NP_055311.1	○				○		○	○	○
RSK4(Kin.Dom.2-C-terminal)	RPS6KA6	NP_055311.1	○				○			○	○
S6K1	RPS6KB1	NP_003152.1	○				○			○	○
SBK1	SBK1	NP_001019572.1	○				○		○	○	○
SGK	SGK1	NP_005618.2	○				○		○	○	○
SgK110	SgK110	P0C264.2	○				○			○	○
SGK2	SGK2	NP_001186193.1	○				○			○	○
SGK3	SGK3	NP_037389.4	○				○			○	○
SIK	SIK1	NP_775490.2	○				○			○	○
SIK2	SIK2	NP_056006.1	○				○			○	○
SLK	SLK	NP_055535.2	○				○			○	○
SNARK	NUAK2	NP_112214.1	○	○			○		○	○	○
SNRK	SNRK	NP_060189.3	○				○		○	○	○
SRC	SRC	NP_005408.1	○	○		○	○		○	○	○
SRMS	SRMS	NP_543013.1	○			○	○		○	○	○
SRPK1	SRPK1	NP_003128.3	○				○			○	○
SRPK2	SRPK2	AAC05299.1	○				○			○	○
SRPK3	SRPK3	NP_055185.2	○	○			○			○	○
STK16	STK16	CAA06700.1	○				○		○	○	○
STK33	STK33	NP_112168.1	○				○			○	○
STK35	STK35	NP_543026.2	○				○		○	○	○
STK36	STK36	NP_056505.1	○				○		○	○	○
STK39	STK39	NP_037365.2	○				○			○	○
SYK	SYK	NP_003168.2	○			○	○			○	○
TAK1	MAP3K7	NP_663304.1	○				○		○	○	○
TAOK1	TAOK1	NP_065842.1	○				○		○	○	○
TAOK2	TAOK2	NP_057235.2	○				○		○	○	○
TAOK3	TAOK3	NP_057365.2	○				○		○	○	○
TBK1	TBK1	NP_037386.1	○				○		○	○	○
TEC	TEC	NP_003206.1	○			○	○			○	○
TESK1	TESK1	NP_006276.2	○				○			○	○
TGFBR1	TGFBR1	NP_004603.1	○	○			○			○	○
TGFBR2	TGFBR2	NP_003233.4	○				○		○	○	○
TIE1	TIE1	NP_005415.1	○			○	○		○	○	○
TIE2	TEK	NP_000450.2	○	○		○	○		○	○	○
TLK1	TLK1	NP_036422.3	○				○			○	○
TLK2	TLK2	AAF03095.1	○				○			○	○
TNIK	TNIK	NP_055843.1	○				○		○	○	○
TNK1	TNK1	NP_003976.2	○			○	○			○	○
TNK2	TNK2	NP_001010938.1	○			○	○		○	○	○
TNNI3K	TNNI3K	NP_057062.1	○				○			○	○
TRKA	NTRK1	NP_001012331.1	○	○		○	○		○	○	○
TRKB	NTRK2	NP_006171.2	○			○	○		○	○	○
TRKC	NTRK3	AAA75374.1	○			○	○			○	○
TRPM6	TRPM6	NP_060132.3	○				○			○	○
TSSK1B	TSSK1B	NP_114417.1	○	○			○			○	○
TSSK3	TSSK3	NP_443073.1	○				○			○	○
TTK	TTK	NP_003309.2	○				○		○	○	○
TXK	TXK	NP_003319.2	○			○	○			○	○
TYK2(JH1domain-catalytic)	TYK2	NP_003322.2	○	○		○	○		○	○	○
TYK2(JH2domain-pseudokinase)	TYK2	NP_003322.3	○			○	○		○	○	○
TYRO3	TYRO3	NP_006284.2	○			○	○			○	○
ULK1	ULK1	NP_003556.1	○				○		○	○	○
ULK2	ULK2	NP_055498.3	○	○			○		○	○	○
ULK3	ULK3	NP_001092906.1	○				○		○	○	○
VEGFR2	KDR	NP_002244.1	○	○		○	○		○	○	○
VPS34	PIK3C3	NP_002638.2	○		○		○			○	○
VRK2	VRK2	NP_006287.2	○				○			○	○
WEE1	WEE1	NP_003381.1	○				○			○	○
WEE2	WEE2	NP_001099028.1	○				○			○	○
WNK1	WNK1	NP_061852.3	○				○			○	○
WNK2	WNK2	NP_006639.3	○				○			○	○
WNK3	WNK3	NP_065973.2	○				○		○	○	○
WNK4	WNK4	NP_115763.2	○				○			○	○
YANK1	STK32A	NP_001106195.1	○				○			○	○
YANK2	STK32B	NP_060871.1	○				○			○	○
YANK3	STK32C	NP_775846.2	○	○			○			○	○
YES	YES1	NP_005424.1	○			○	○		○	○	○
YSK1	STK25	NP_006365.2	○				○		○	○	○
YSK4	YSK4	NP_079328.3	○				○			○	○
ZAK	ZAK	NP_598407.1	○				○		○	○	○
ZAP70	ZAP70	NP_997402.1	○	○		○	○			○	○
			468	97	22	135	468	18	233	469	469