

キット選択基準	Quant Seq				CORALL RNA-Seq	LUTHOR 3' mRNASeq	Small RNA-Seq	Telo-Prime Full-Length cDNA
	3' FWD	3' Pool	3' REV	Flex				
アプリケーション								
遺伝子発現プロファイリング解析	◎	◎	○	○	○	○	○	×
全トランスクリプトーム解析	×	×	×	×	○	×	×	○
代替ポリアデニル化の解析	○	×	◎	○	×	○	×	○
アイソフォームの同定と定量化	×	×	×	○	○	×	×	○
ターゲットシーケンス解析	×	×	×	◎	×	×	×	○
リボソームプロファイリング解析	×	×	×	×	×	×	◎	×
転写領域の（再）アノテーション	×	×	×	△	○	×	○※1	○
de novoアセンブリ	×	×	×	×	○	×	×	○
新生RNA/分解RNAの解析※2	○	○	○	○	○	△	○	○
small RNA（miRNA, siRNAなど）の解析	×	×	×	×	×	×	○	×
長鎖ノンコーディングRNA（lncRNA）の解析	×	×	×	○	○	×	×	△
RNAインプットタイプ								
ヒトまたは動物細胞	×	×	×	×	×	○	×	×
プロトプラスト、セルライゼート								
Total RNA	◎	◎	○	○	○	○	○	○
mRNA（PolyA濃縮RNA）	○	○	△	△	◎	△	×	○
rRNA除去済RNA	△	△	△	△	◎	△	×	△
Small RNA	×	×	×	×	×	×	○	×
高品質のRNA (RIN 8 以上)	○	○	○	○	○	○	○	○
中品質のRNA (RIN 5 - 8)	○	○	○	○	○	○	○	×
低品質のRNA (RIN <5; DV200 <50 %)	○※3	△	○※3	○※3	○	×	○	×
インプット量が少ないサンプル（ <100 pg）	×	×	×	×	×	○	×	×
サンプルタイプ								
組織	○	○	○	○	○	○	○	○
細胞（細胞株、初代細胞、選別細胞など）	○	○	○	○	○	○	○	○
血液	○	○	○	○	○	○	○	△
リキッドバイオプシー（CSF、血清、血漿、尿	△	△	△	△	△	○	◎	×
FFPE / バイオバンクサンプル	○※3	△	○※3	○※3	○	×	○	×
エクソソーム	△	△	△	△	△	○	◎	×

※1 Small RNAのみ

※2 別途SLAMseq kitの購入が必要です。

※3 User Guideに従い、プロトコルを変更する必要があります。