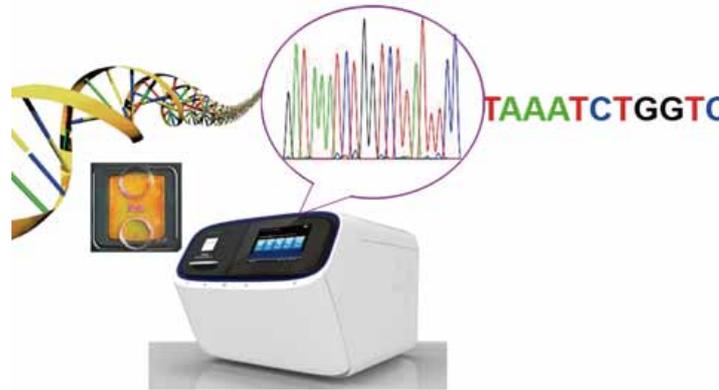


次世代シーケンシング受託サービス

多彩なアプリケーションとリーズナブルな価格で研究を加速させます!!

Applied Biological Materials 社 (カナダ) は次世代シーケンサー用の高品質な酵素やキットを自社開発しており、HiSeq® 2000/MiSeq® (Illumina® 社) 及び Ion Proton™ (Life Technologies 社) を用いた次世代シーケンシング受託解析サービスを提供しております。広範なアプリケーションをリーズナブルな価格でご用意しており、コストと貴重な時間を節約することができます。信頼性の高いデータを提供できる次世代シーケンシング受託サービスを是非ご利用下さい。



受託アプリケーション

- RNA-Seq
- Whole Genome Sequencing
- Exome Sequencing
- Custom Targeted NGS
- Epigenetic Profiling
- Disease Panels and Pathway Genes

次世代シーケンサー仕様



機種	Ion Proton™
解析手法	Ion semiconductor sequencing 法
データ量 (最大)	10 Gb
測定時間	2-4 時間
リード数	8,000 万
リード長 (最大)	200 bp
アプリケーション	Whole genome sequencing Exome sequencing Gene sequencing ChIP sequencing Methylation analysis De novo sequencing Whole transcriptome sequencing Gene expression by sequencing Small RNA sequencing

Proton は、Life Technologies 社の商標です。



機種	HiSeq® 2000	MiSeq®
解析手法	Sequencing by Synthesis (SBS) 法	
データ量 (最大)	600 Gb	7.5-8.5 Gb
測定時間	2-11 日	4-39 時間
シングルリード (最大)	30 億	1,500 万
ペアエンドリード (最大)	60 億	3,000 万
リード長 (最大)	2 × 100 bp	2 × 250 bp
必要サンプル量	50 ng with Nextera® 100 ng – 1 µg with TruSeq®	1 ng with Nextera® XT 50 ng with Nextera® 100 ng – 1 µg with TruSeq®
Q30 以上の塩基割合	> 80% (2 x 100 bp)	> 85% (2 x 100 bp)
アプリケーション	Human-scale genome sequencing Exome sequencing Small genome sequencing Gene sequencing ChIP sequencing Methylation analysis De novo sequencing Whole transcriptome sequencing Gene expression by sequencing Small RNA sequencing	

HiSeq, Illumina, MiSeq, Nextera, TruSeq は、Illumina 社の登録商標です。



受託アプリケーション

RNA-Seq

機能ゲノム研究のグローバルリーダーである Applied Biological Materials 社は、Ion Torrent™ と Illumina® を用いて広範囲なニーズにお応えできる RNA シーケンシングサービスをご提供します。4,000 万リードの解析から得られるデータは選択的スプライシングの同定や転写産物の定量に用いられ、8,000 万リードの解析は少量のノンコーディング RNA を検出することが可能です。

特長

- トータル RNA、poly-A 濃縮 RNA、miRNA を含むスモール RNA 等の解析が可能
- 正確な遺伝子発現プロファイル
- miRNA シーケンシング
- 未知の転写産物の発見
- 精度の高いデータ読み出し

サービス内容

1. Bioanalyzer (Agilent 社) によるサンプルの品質確認
2. ご希望により rRNA 除去、polyA 濃縮、miRNA 濃縮等
3. RNA-seq 用ライブラリーの作製 (RNA の断片化及び、cDNA の合成と増幅)
4. シーケンシング
5. BAM, SFF, FASTQ 形式によるデータの出力
6. バイオインフォマティクス解析
リードマッピング (Tophat)、遺伝子発現定量 (Cufflinks/RPKM)、品質管理 (RSeQC/FastQC)、3 カ月間無償で raw データを保存

Whole Genome Sequencing

本サービスでは最小 2 µg のゲノム DNA からあらゆる生物のゲノムを 30 x カバレッジで読み取ります。

サービス内容

1. サンプルの品質確認
2. シーケンシング用ライブラリーの作製 (DNA の断片化と増幅を含む)
3. シーケンシング
4. BAM, SFF, FASTQ 形式によるデータの出力
5. バイオインフォマティクス解析
リードマッピング (BWA)、重複リード除去 (Picard)、ローカルリアライメント+品質管理+変異コール (GATK)、3 カ月間無償で raw データを保存



Exome-Sequencing

ゲノム中の翻訳領域にフォーカスするエクソームシーケンシングは、WGS に比べ 10 倍のカバレッジと 1/5 のコストで解析が可能です。本サービスにより蓄積されたデータはメンデル遺伝病や各種疾患に関連する一塩基多型や *de novo* 突然変異を高い精度と信頼性で検出することが可能です。本サービスはエンリッチメントキットによるエクソムの濃縮と次世代シーケンシングによる解析までを承ります。サービスは Ion TargetSeq™ Exome Kit (Life Technologies 社) の使用を前提としておりますので、他のキットの使用をご希望の際はお気軽にご連絡下さい。

特長

- 1 塩基多型、挿入 / 欠失、*de novo* 突然変異などエクソンに内包された各種多型の探索
- エクソームにコードされた変異を 50x (5 Gb) 及び 100x (10 Gb) で読み取り可能

サービス内容

1. Multiplex PCR によるエクソン領域の濃縮
2. シーケンシング
3. BAM, SFF, FASTQ 形式によるデータの出力
4. バイオインフォマティクス解析：リードマッピング (BWA)、重複リード除去 (Picard)、ローカルリアライメント+品質管理+変異コール (GATK)、3 カ月間無償で raw データを保存

Custom Targeted NGS

ゲノム中の興味ある領域のみのシーケンシングにより、全ゲノム解析やエクソーム解析に比べて低コストで解析することが可能です。最大 2,000 万 bp のターゲットに対して解析を行います。

サービス内容

1. Bioanalyzer (Agilent 社) によるサンプルの品質確認
2. 標的配列のキャプチャー、または PCR 増幅
3. シーケンシング用ライブラリーの作製 (アダプターライゲーションを含む)
4. シーケンシング
5. BAM, SFF, FASTQ 形式によるデータの出力
6. バイオインフォマティクス解析 (データ QC とバリアントコールを含む)

Epigenetic Profiling

メチル化 DNA 領域を特異的に濃縮してシーケンスを行い、ゲノムワイドにメチル化 DNA 領域を検出します。

サービス内容

1. Bioanalyzer (Agilent 社) によるサンプルの品質確認
2. DNA の断片化
3. 5-ヒドロキシメチル化シトシン (5-hmC-gDNA) を含む DNA 断片のキャプチャーと品質確認
4. シーケンシングライブラリーの作製 (アダプターライゲーションを含む)
5. シーケンシング
6. BAM, SFF, FASTQ 形式によるデータの出力
7. バイオインフォマティクス解析

Disease panel & Pathway genes

癌や遺伝性疾患など特定の疾患遺伝子群パネルやミトコンドリアゲノムをターゲットにした市販のキットを使用し、次世代シーケンスすることでその領域における多型や変異を検出することができます。

サービス内容

1. 市販の Multiplex PCR キットによるライブラリーの作製
2. シーケンシング
3. BAM, SFF, FASTQ 形式によるデータの出力
4. バイオインフォマティクス解析 (データ QC と変異コールを含む)

サービス名	ライブラリー調製キット	標的遺伝子数	プラットフォーム
Cancer Hotspot Panel Service	Ion AmpliSeq™ Cancer Hotspot Panel v2	50 (2,800 cosmic mutations)	Ion Proton
Comprehensive Cancer Panel I Service	Ion AmpliSeq™ Comprehensive Cancer Panel	409	Ion Proton
Comprehensive Cancer Panel II Service	TruSight® Rapid Capture	~535	MiSeq
Selective Cancer Panel I Service	TruSight® Rapid Capture	94 and 284 SNPs	MiSeq
Selective Cancer Panel II Service	TruSight® Rapid Capture	26	MiSeq
BRCA Panel Service	Ion AmpliSeq™ BRCA1 and BRCA2 Panel	2	Ion Proton
Breast Cancer Panel Service	TruSight® Rapid Capture	19	MiSeq
Colon and Lung Cancer Panel Service	Ion AmpliSeq™ Colon and Lung Panel	22	Ion Proton
Inherited Disease Panel I Service	TruSight® Rapid Capture	552	MiSeq
Inherited Disease Panel II Service	Ion AmpliSeq™ Inherited Disease Panel	300+	Ion Proton
Inherited Cardiomyopathy Panel Service	TruSight® Rapid Capture	46	MiSeq
Deafness Genes Panel Service	TruSight® Rapid Capture	~80	MiSeq
Autism Panel Service	TruSight® Rapid Capture	101	MiSeq
DCM & HCM Genes Panel Service	TruSight® Rapid Capture	39	MiSeq
Drug ADME related Genes ^Å Panel Service	TruSight® Rapid Capture	~352	MiSeq
Human and Mouse Mitochondria (>3000 coverage) Panel Service	ご照会	ご照会	MiSeq
Human Kinome Panel Service	ご照会	ご照会	MiSeq

AmpliSeq, TargetSeq は、Life Technologies 社の商標です。 TruSight は、Illumina 社の商標です。

下記弊社 Web ページより見積のご依頼をお願い致します。 → 価格・納期次ページ

http://www.cosmobio.co.jp/product/trust/cat1083/apb-20130910-1.asp?entry_id=11665

8 サンプル以上ご注文の場合は別途ディスカウント対応を致します。

www.cosmobio.co.jp



次世代シーケンシング受託サービス

ご質問・ご不明の点は
技術サービス部 テクニカルサービスグループまでお問合せ下さい。

TEL : 03-5632-9615

FAX : 03-5632-9614

E-mail : jutaku_gr@cosmobio.co.jp

価格表

Applied Biological Materials Inc.

メーカー略号：APB

カテゴリー	サービス	最低		標準納期	
		サンプル数	参考価格 1 サンプルあたり		
RNA-Seq	Single-End	Total RNA Small Transcriptome (8 million reads)	2	¥94,000	3-5 週間
		Total RNA Sequencing (20 million reads)	2	¥111,000	
		Total RNA Sequencing (40 million reads)	2	¥174,000	
		Total RNA Sequencing (80 million reads)	1	¥318,000	
		miRNA Sequencing (20 million reads)	2	¥111,000	
	Paired-End	Total RNA Small Transcriptome (7 million reads)	2	¥94,000	
		Total RNA Sequencing (10 million reads)	2	¥143,000	
		Total RNA Sequencing (20 million reads)	1	¥259,000	
		miRNA Sequencing (7 million reads)	2	¥161,000	
	Option	rRNA Depletion Treatment	-	¥11,000	
Whole genome sequencing	Single-End	Small Genome (up to 8 Gb data)	2	¥341,000	5-9 週間
		Large Genome (over 300 million bp)	1	ご照会	
	Paired-End	Small Genome (up to 7 Gb data)	2	¥261,000	
		Small Genome (up to 15 Gb data)	1	¥443,000	
Exome sequencing	Single-End	Exome Sequencing (up to 4 Gb data)	2	¥174,000	5-9 週間
		Exome Sequencing (up to 8 Gb data)	1	¥387,000	
	Paired-End	Exome Sequencing (up to 4 Gb data)	1	¥291,000	
Custom targeted NGS	Custom Targeted NGS (<500 kb)	2	¥102,000	6-8 週間	
	Custom Targeted NGS (>7 mb)	2	¥181,000		
Disease Panels and pathway genes	Cancer Hotspot Panel Service	2	¥133,000	5-9 週間	
	Comprehensive Cancer Panel I Service	2	¥149,000		
	Comprehensive Cancer Panel II Service	2	¥181,000		
	Selective Cancer Panel I Service	2	¥106,000		
	Selective Cancer Panel II Service	2	¥62,000		
	BRCA Panel Service	2	ご照会		
	Breast Cancer Panel Service	2	¥102,000		
	Colon and Lung Cancer Panel Service	2	ご照会		
	Inherited Disease Panel I Service	2	106000		
	Inherited Disease Panel II Service	2	149000		
	Inherited Cardiomyopathy Panel Service	2	106000		
	Deafness Genes Panel Service	2	102000		
	Autism Panel Service	2	106000		
	DCM & HCM Genes Panel Service	2	102000		
	Drug ADME Related Genes Panel Service	2	133000		
	Human and Mouse Mitochondria (>2000 coverage) Panel Service	2	ご照会		
Human Kinome Panel Service	2	ご照会			
Epigenetic profiling	Epigenetic Profiling	2	¥261,000	6-8 週間	
Option Service	Data Storage (per additional 3 months)	-	¥24,000	-	

下記弊社 Web ページより見積のご依頼をお願い致します。

http://www.cosmobio.co.jp/product/trust/cat1083/apb-20130910-1.asp?entry_id=11665

お願いおよび注意事項

- 使用範囲 …… 記載の商品は全て、「研究用」です。
人や動物の医療用・臨床診断用・食品用等としては使用しないよう、十分ご注意ください。

2014.5 (12028)

取扱店



人と科学のステキな未来へ

コスモ・バイオ株式会社

〒135-0016 東京都江東区東陽 2-2-20 東陽駅前ビル

URL : <http://www.cosmobio.co.jp/>

- 技術サービス部 (お問い合わせ)

TEL : (03) 5632-9615 FAX : (03) 5632-9614